**Supplemental file 3**

**Peptide sequences of the transposase encoded by Aae\_MJ1\_CONCENSUS and all individual *MJ1* copies that had intact open reading frames**

>Aae\_MJ1\_consensus

MYIFCIGIGVSFSFIHTLPNVRGVDILLVVVRLLRAMKEYRDFVIKRFLNGERPGDIFRLLKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKTAADLNVSIGTAHTILIKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSDEKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEKNVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDKTLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFEKRLKLVKEYKGGVIPREML

>CONTIG\_13910\_402130\_403457 (Aedes aegypti)

MYIFCIGIGVSFSFIHTLPNVRGVDILLVVVRLLRAMKEYRDFVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVCTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILIKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVASSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYNVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Ape\_MJ1\_Clone3

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDILLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILIKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Aju\_MJ1\_Clone8

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDILLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Aju\_MJ1\_Clone5

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDILLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Aju\_MJ1\_Clone4

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDILLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Aju\_MJ1\_Clone3

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDILLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Ale\_MJ1\_Clone12

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDILLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Ale\_MJ1\_Clone9

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDILLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Ale\_MJ1\_Clone3

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDILLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Ale\_MJ1\_Clone2

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDIMLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Aya\_MJ1\_Clone2

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDILLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSETTSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Ale\_MJ1\_Clone6

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDILLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMIAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Ale\_MJ1\_Clone13

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDILLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHMANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Akw\_MJ1\_Clone2

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDSLLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Ape\_MJ1\_Clone6

MYIFCIGIGVSFGLIRTLPNVHGVDILLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDDMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Ahy\_MJ1\_Clone3

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDILLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSRGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML 1191

>Aju\_MJ1\_Clone7

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDTLLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVLEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Asi\_MJ1\_Clone1

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDSLLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGVVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Ale\_MJ1\_Clone1

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDILLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRIIKIVRERIRRKKNRSIRKM

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVASSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Akw\_MJ1\_Clone3

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDSLLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQHGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Ape\_MJ1\_Clone7

MYIFCIGIGVSFGLIRTLPNVHGVDILLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKGLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDDMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Aju\_MJ1\_Clone1

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDSLLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFMTVMLKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Ale\_MJ1\_Clone11

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDILLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIGK

NVKINAAYYKTEVLEKVVASSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Ale\_MJ1\_Clone7

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDILLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKERKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVRKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Asi\_MJ1\_Clone2

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDSLLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVRNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGVVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Aba\_MJ1\_Clone1

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPHVPSVDSLLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCIRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Aya\_MJ1\_Clone1

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDSLLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

PKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMRSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Akl\_MJ1\_Clone2

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDSLLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQN-RVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEALEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML 1188

>Akw\_MJ1\_Clone1

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDSLLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFKPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRMWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLGPPSFPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Asi\_MJ1\_Clone9

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDSLLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETPSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVKINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTAIVVRAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKPVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGVIPREML

>Ale\_MJ1\_Clone5

MYLFCIGIGVSFSLIHTLPNVPSVDILLIVVHLLRAMKEYRDIVIKRFLNGERPGDIFRL

LKSHGVKRNFVYTTIRRYRETSSTNDRARSGRPRSARTPRVIKIVRERIRRKKNRSIRKT

AADLNVSIGTAHTILTKDLGFRPYKKRKVHGVSEATSKKRLDRAKRILSRHAGQEFVFSD

EKLFVLQQPHNVQNDRVWAPSRDSIPESNINIPRFQSAASVMVWGAVCKRGKLPLVFIEK

NVNINAAYYKTEVLEKVVAPSLRSLYGDEHYVFQQDGAPAHTANVVQAWCRDNLTDFLDK

TLWPPSSPDLNPLDFFVWSYMMAKLNEYKVSTLDHFKTVILKIWDEMPMQSVRAACDAFE

KRLKLVKEYKGGGGGGVIPREML