

Table S8: Predicted phenotypes and V3 sequences of longitudinally isolated Env clones of subject DS9 for which coreceptor usage was determined in the Trofile assay.

Time point (mo to T0)	<i>n</i> clones	Phenotype Trofile	Predicted phenotype (PSSM/g2p)	V3 sequence ^a CVRPGNNTRKSIITIGPGKAFYT-REIIGNIRQAHC
-3	8	R5	nsi/x4	-M-----A-G---D--K---
	3	R5	nsi/x4	-M-----R---A-G---D--K---
	1	R5	nsi/x4	-M-----R---A-G-----
	1	dual-R	nsi/x4	-M-----A-G---D--K---
0	1	R5	nsi/r5	-M-----K-----A-G---D--K---
	6	R5	nsi/x4	-M-----A-G---D--K---
	1	R5	nsi/x4	-M-----R---A-G---D--K---
	1	R5	nsi/x4	-M-----R-----R---A-G---D--K---
	1	R5	nsi/x4	-M-----A---R---A-G---D--K---
	1	dual-X	nsi/x4	-M-----R---A-G---D--K---
	1	5	R5	nsi/x4
1	2	R5	nsi/x4	-M-----R-----R---A-G---D--K---
	2	R5	nsi/x4	-M-----R---A-G---D--K---
	1	dual-X	nsi/x4	-M-----R---A-G---D--K---
	1	dual-X	nsi/x4	-M-----A-G---D--K---
	3	1	R5	nsi/r5
3	4	R5	nsi/x4	-M-----A-G---D--K---
	2	R5	nsi/x4	-M-----R---A-G---D--K---
	1	R5	nsi/x4	-M-----R-----R---A-G---D--K---
	1	dual-X	nsi/x4	-M-----R---A-G---D--K---
	1	dual-X	nsi/x4	-M-----A-G---D--K---
4	1	R5	nsi/r5	-----R-----R---A-G---D--K---
	5	R5	nsi/x4	-M-----A-G---D--K---
	2	R5	nsi/x4	-M-----R-----R---A-G---D--K---
	2	R5	nsi/x4	-M-----R---A-G---D--K---
	5	dual-X	nsi/x4	-M-----R---A-G---D--K---

^a V3 amino acid sequences are shown relative to the major sequence in PBMCs at time point -12 months as determined by ultra-deep sequencing.