

Table S9: Predicted phenotypes and V3 sequences of longitudinally isolated Env clones of subject DS10 for which coreceptor usage was determined in the Trofile assay.

Time point (mo to T0)	<i>n</i> clones	Phenotype Trofile	Predicted phenotype (PSSM/g2p)	V3 sequence ^a CTRPNNTKRDIIHIGPGR-AFYATE-IVGDIRQAHC	
-3	1	R5	si/r5	-----P-----D-----	
	1	R5	si/x4	-----AKG-----M---R---N---R---	
	7	Dual-R	si/x4	-----A-G-----M---QR-----R---	
	1	Dual-R	si/x4	-----AKG-----M---QR-----R---	
0	4	R5	nsi/r5	-----R-N-----M---GQ-I-N-----	
	1	R5	nsi/r5	-----RK-----M---GQ-I-N-----	
	1	R5	si/r5	-----RK-----D-----	
	3	R5	si/x4	-----A-G-----M---QR-----R---	
	1	R5	si/x4	-----AKG-----M---QR-----R---	
	1	R5	si/x4	-----AKG-----M---R-----R---	
	1	R5	si/x4	-----AKG--L-----M---QR-----R---	
	1	Dual-R	si/x4	-----A-G-----M---QR-----R---	
	3	1	R5	nsi/r5	-----RK-----M---GE-----R---
		1	R5	si/r5	-----P-----D-----
3		R5	si/x4	-----A-G-----M---QR-----R---	
7		Dual-R	si/x4	-----A-G-----M---QR-----R---	
1		Dual-R	si/r5	-----R-G-----AI-F---R---N-----	
6	6	R5	si/r5	-----P-----D-----	
	1	R5	si/x4	-----AKG-----M---QR-----R---	
	1	Dual-R	si/x4	-----AKG-----M---QR-----R---	
	5	Dual-X	si/x4	-----A-G-R-----VI--AKR-----R---	

^a V3 amino acid sequences are shown relative to the major sequence in PBMCs at time point -12 months as determined by ultra-deep sequencing.