**S1 Table.** Five sequences of cupuassu used in this study. Primers used for qPCR are underlined.

|  |
| --- |
| >**TgACP-c2265** – 633 bpAAACCAGAGACAGTGAACAAAGTTTGTGAAATAGTGAGGAAGCAACTGGCACTACCTGATGATTCTCCATCACCGGGGAGTCAAAGTTTCTACCTTGGAGCTGATTCCCTTGACACGGTCGAGATTGTGATGGGACTCGAGGAGGAGTTCGGAATCATTGTGGAAGAAGAAAGTGCCCAGAGTATTAGCACTGTTCAGGATGCAGCTGACCTGATTGAGAAGCTCATGGATAAGAACTGTGCTTAAATTGCAAACAGCCCAACACAAGTCACTTATGAGCCCCTCCTATGTTGGCATGCCGTCGGCTTTGTTTTGTTGCTTATGGAATGTTTAAAACCTAATAGTATCTTACCTGATGAATCCACCCCAAGTTTGGCTGTTCACCTTTATCCTTACAGCTTATGTAGAACTCCAGTGTCTCATTTCCCTGTTAAGCTTAGGCATTTGTTTCATTATGTTATCATAAAATACATTGCTCAAGGCCATAGAGCATGTTTCCACCCGGGAAATCTATAAATTATGCTGCTTACTACTTTACTTGCATTGCTCACTTTTCACAGAGGGAAATGGGGTTGGGCTTAGGATGATAACCCAAGAAAACCCGACTAGACCCGAAATCTGTGAGCAGACCAC |
| >**TgTUB-c547** – 1511 bpGGAACTTTACTGTCTCGAGCATGGCATTCAGCCTGATGGCCAAATGCCAAGTGATAAGACTGTTGGTGGAGGAGACGATGCTTTCAACACCTTTTTCAGCGAAACTGGTGCCGGAAAGCATGTCCCTCGTGCCGTATTTGTTGATCTCGAGCCTACTGTCATCGATGAAGTGAGGACTGGAACGTACCGCCAGCTGTTCCACCCTGAGCAACTAATCAGTGGCAAAGAAGATGCTGCCAACAATTTTGCTCGTGGCCATTACACAATTGGAAAAGAGATTGTCGATCTCTGCTTGGATCGTATCCGAAAGCTTGCGGATAACTGTACTGGGCTACAAGGATTCTTGGTCTTTAATGCAGTTGGAGGTGGTACTGGTTCTGGTCTTGGATCCCTTCTCTTGGAGCGTCTCTCTGTTGACTACGGAAAGAAGTCCAAGCTTGGTTTCACTGTCTATCCTTCACCTCAGGTTTCTACATCTGTTGTAGAGCCTTACAACAGTGTGCTGTCCACCCATTCGCTCCTTGAGCACACTGATGTTGCTGTGCTTCTTGATAACGAAGCAATTTATGACATCTGCAGGCGATCTCTGGACATTGAACGGCCCACTTACACCAATCTTAACCGCCTTGTCTCTCAGGTTATCTCATCTCTTACTGCCTCTTTGAGGTTTGATGGGGCCTTGAATGTGGATGTGACTGAGTTCCAGACTAACCTGGTCCCCTACCCCAGGATCCATTTTATGCTTTCCTCATATGCCCCTGTTATTTCTGCTGAGAAGGCTTACCATGAGCAATTGTCAGTGGCTGAGATCACCAACAGTGCATTTGAGCCTTCTTCCATGATGGCCAAATGTGACCCACGCCATGGGAAGTACATGGCCTGCTGCCTCATGTACCGAGGTGATGTTGTGCCCAAAGATGTGAATGCTGCTGTGGCCACTATCAAGACCAAGCGAACTATCCAATTTGTCGATTGGTGCCCAACTGGATTTTAAGTGTGGTATCAACTACCAGCCACCAACTGTGTTCCAGGAGGTGACCTTGCCAAGGTGCAGAGGGCCGTCTGCATGATCTCTAACTCAACCAGTGTTGCAGAAGTGTTCTCCCGCATCGACCACAAATTTGATCTCATGTATGCCAAGCGTGCCTTTGTGCACTGGTATGTTGGTGAGGGAATGGAGGAAGGAGAGTTCTCAGAGGCTCGTGAGGATCTTGCTGCACTGGAAAAAGATTATGAGGAAGTTGGTGCTGAGTCTGGTGAAGGAGATGAAGGGGATGAGGGCGAGGAGTACTGAGGGAAGGACTGCCTTCATATATTTGCTACTCAGATGTTCTTCGTGTTGCTTCCAATTTATGTCACAGATTTGGTGGCTGAATCTCTTTTTTTGAATGTTTTTGGTTACTTGGGGTGACGTATCCAGTTCGTCATATTTTCAATGAATAAGTTTTAGTAAAGACTTTGCCGTATGGGAGGTTTCCAAGCCTTTAGGACCATTGTAATGGAAGGTCTAA |
| >**TgGAPDH-c136** - 1278 bpTTTTGGTCGTCTTTGTTAGAGATTGTTTCTCGATTTTCGGACATGGCGAAGATCAAGATCGGAATCAACGGATTTGGAAGAATCGGGCGTTTGGTTGCCAGAGTCGCTCTCCAAAGCGATGATATTGAGCTTGTTGCTGTTAACGATCCTTTTATCAGCGTTGAATACATGATCTACATGTTTAAGTACGATAGTGTTCACGGTCAATGGAAGCACCATGAGCTTAAGGTGAAGGACTCAAAGACCCTTCTTTTTGGTGAAAAGCCTGTCACTGTTTTCGGCATCAGAAACCCTGAGGAAATCCCCTGGGGGGAGACTAGGAGCTGAATATGTTGTTGAGTCTACTGGTGTTTTCACCGACAAGGACAAAGCTGCTGCTCACTTGAAGGGTGGCGCAAAGAAGGTGATCATTTCTGCTCCCAGTAAGGATGCCCCCATGTTTGTAATGGGTGTCAATGAGAAGGAATACAAGCCTAATCTTGATATTGTCTCCAATGCTAGCTGCACTACCAACTGCCTTGCTCCTTTGGCTAAGGTCATCAATGACAAATTTGGCATTGTTGAGGGTCTTATGACCACTGTCCATTCAATTACTGCTACCCAAAAGACTGTTGATGGTCCCTCAATGAAGGACTGGAGAGGTGGTAGAGCTGCTTCCTTCAACATCATTCCCAGCAGCACTGGAGCTGCCAAGGCTGTTGGCAAGGTGTTACCTGCGTTGAATGGCAAGCTGACTGGAATGGCTTTCCGTGTTCCCACTGTTGATGTCTCTGTGGTTGACCTCACTGTGAGACTTGAGAAGCCAGCTTCTTATGAGGATATTAAGAAGGCTGTCAAGGAGGCATCTGAAACCCACATGAAGGGAATTCTTGGTTATGTAGATGAAGATTTGGTGTCATCTGACTTTGTTGGTGACCAAAGGTCAAGCATTTTTGATGCCAAGGCTGGAATTGCTTTGAATGATAAGTTTGCTAAGCTTGTTACATGGTATGACAACGAGTGGGGTTACAGTTCCCGTGTTGTTGACTTGATCCGACACATGGCGTCTTGCAAGTGAGTGATATTGGTGTAGGAATGCGTGTTGTGGGCCTCCTCTTTCATCAGCCCTAGCAATTTGGGAGAGGAGATGTCATGGGAATAATAGATTTGTACGGGACATGTTTTTGGATGGATGGGAGTGTTTCCATTTTTATGGAGTATTTGCATTTTTGGCTAGAACAGTTTTCATTCTGTCGGAACGAGTTTACTATTTTGGTTTGTTCATAATTTCACTAACTC |
| >**TgACT-c3987** – 456 bpAGACTTTGAGTTCACTTGACACAGGACACAAAAAAGCCAACTAAATGGAAAATGTAACTCACCATCAAAGCACTAATAAAACTTAGAAGCACTTCCTGTGGACAATGGATGGACCAGATTCATCATACTCGCCCTTGGAAATCCACATCTGCTGGAAGGTGCTGAGCGATGCCAAGATAGATCCTCCAATCCAGACACTGTACTTTCTCTCTGGTGGTGCAACGACCTTAATCTTCATGCTGCTTGGAGCAAGGGCAGTGATCTCCTTGCTCATTCGGTCTGCAATACCAGGGAACATAGTTGAACCACCACTGAGCACAATGTTACCATAGAGATCTTTCCTGATATCCACATCACACTTCATGATAGAGTTGTAGGTAGTCTCATGGATTCCAGCAGCTTCCATCCCAATAAGAGATGGCGTGGAAGAGGACTTCTGGACAACGGAACTCTCTC |
| >**TgMDH-c1193** – 543 bpGGCGGTACGGAGGTTGTTGAGGCAAGGCTGGTGCTGGGTCTGCAACATTATCAATGGCATATGCTGCGGTTAAATTTGCTGATGCATGCCTTCGTGGCTTAAGAGGAGATGCTGGTGTTGTTGAATGTGCATTTGTGGCCTCACATGTGACTGAATTACCCTTCTTCGCATCCAAGGTAAGACTTGGTCGGTTCGGAGTTGAGGAAGTATACCCTCTTGGCCCACTAAATGAGTATGAGAGGGTTGGCTTGGAGAAGGCAAAGAAAGAACTAGCAGGTAGCATTCAGAAGGGCGTTTCCTTTGTCAAGAAATGAATAGGTGCTCATATCTTGGTTTCCCCTGAGAATCAAGGAACACTACAGTTATACCTATTTTCTGATAACAAAAGTTTCTAGGAATAAGGGGTAAAACGCCTGTTTTGTTTTACCAAAACCCTGTGCTATGGGTTCCTGGATGTGAGCCAACCTCGCAAATGTGGTGGGTCATGGCTAAAATTCATAATACATTAATGGTTTGTAAATTAGGAACGTCTGTTGCATTTTT |