

Ole18	GAATTCGATGGTCAGCCAATACATTGATCCGTT GCCAATCATGCAAAGTATTTTGGCTGT	60
AY427563	-----GATGGTCAGCCAATACATTGATCCGTTGCCAATCATGCAAAGTATTTTGGCTGT	54

Ole18	GGCCGAGTGCCCGAATTGATAATTGTGTTCTGACTAAATTAATGACCAGAAGTCGCTAT	120
AY427563	GCCCGAGTGCCCGAATTGATAATTGTGTTCTGACTAAATTAATGACCAGAAGTCGCTAT	114

Ole18	CTTCCAATGTATCCGAAACCTGGATTAA G CAATCCTGTTCTGTTCTCTAGCCCCCTCCTGC	180
AY427563	CTTCCAATGTATCCGAAACCTGGATTAA A CAATCCTGTTCTGTTCTCTAGCCCCCTCCTGC	174

Ole18	ATGGCCGGATTGTTTTTTTGACATGTTTTCTTGACTGAGGCCGTGTTGTTCTAAACTTTT	240
AY427563	ATGGCCGGATTGTTTTTTTGACATGTTTTCTTGACTGAGGCCGTGTTGTTCTAAACTTTT	234

Ole18	TCTTCAAACCTTTTAACCTTTTCATCACATCAGAACTTTTCTACACACATAAACTTTTAAC	300
AY427563	TCTTCAAACCTTTTAACCTTTTCATCACATCAGAACTTTTCTACACACATAAACTTTTAAC	294

Ole18	TTTT T GTACATCGTTCCAATTTCATCAAACTTT T AATTTTGGC T GAACTAAACACA	360
AY427563	TTTT C GTACATCGTTCCAATTTCATCAAACTTT C AATTTTGGC G TAACTAAACACA	354

Ole18	CCCTGAGTCTTTTATGCTCCTCC A TACGGGTGGCTGGTTGAGAATAGGTATTTTCAGA	420
AY427563	CCCTGAGTCTTTTATGCTCCTCC T ACGGGTGGCTGGTTGAGAATAGGTATTTTCAGA	414

Ole18	GAGAAATCT G GATATTGGGAGG A GGA A CTTGGCATGAATGGCCACTATATTTAGAGCAA	480
AY427563	GAGAAATCT A GATATTGGGAGG A CTTGGCATGAATGGCCACTATATTTAGAGCAA	471

Ole18	TTCTACGGTCT T TGAGGAGGTACCATGAGGTACCAAAATTTAGTGAAATTTTAGTATC	540
AY427563	TTCTACGGTCT C TGAGGAGGTACCATGAGGTACCAAAATTTAGTGAAATTTTAGTATC	531

Ole18	T-----	541
AY427563	T CATTATAACTAGGTATTATGAGGTACCAAAATTACAATAGAAAAATAGTACTTCATGG	591
	*	
Ole18	-----TCTTAAGACCGTAAAAATTGCTCCTATATTTAAGGG-ATGTTTATATCTATCCAT	595
AY427563	TACTT TCTTAAGTACCGTAAAAATTGCTCCTATATTTAAGGG A TGTTTATATCTATCCAT	651

Ole18	ATCCATAATTTGATTTTGATAAGAAAAAATGTGAGCACACCAAGCATGTCCATGACCTTG	655
AY427563	ATCCATAATTTGATTTTGATAAGAAAAAATGTGAGCACACCAAGCATGTCCATGACCTTG	711

Ole18	CACTCTTGCTCACTCGTCAACTGTGAAGAACCT A AAAAATGCTCAATATAGCTACAGGT	715
AY427563	CACTCTTGCTCACTCGTCAACTGTGAAGAACCT C AAAAATGCTCAATATAGCTACAGGT	771

Ole18	GCCTGAAAAATAACTTTAAAGTTTGAACATCGATTTCACTAAACAACAATTATTATCT	775
AY427563	GCCTGAAAAATAACTTTAAAGTTTGAACATCGATTTCACTAAACAACAATTATTATCT	831

Ole18	CCCTCTGAAA TGTGCTACCTAA GATGATAGTTTAGAACTCTAGAATCATGTGCGGCGGA	835
AY427563	CCCTCTGAAA-----GATGATAGTTTAGAACTCTAGAATCATGTGCGGCGGA	878

Ole18	GAAAGTAAATTATTTTCCCAAAATTTCCAGCTATGAAAAAACCCCTCACCAAAACACCATCA	895
AY427563	GAAAGTAAATTATTTTCCCAAAATTTCCAGCTATGAAAAAACCCCTCACCAAAACACCATCA	938

Ole18	AACAAGAGTTCACCAAAACGCCCATGCGGCCATGCTGTACGCAACGCACCGCATTGCCT	955
AY427563	AACAAGAGTTCACCAAAACGCCCATGCGGCCATGCTGTACGCAACGCACCGCATTGCCT	998

Ole18	GATGGCCGCTCGATGCATGCATGCTTCCCCGTGCACATATCCGACAGACGCGCGGTGTC	1015
AY427563	GATGGCCGCTCGATGCATGCATGCTTCCCCGTGCACATATCCGACAGACGCGCGGTGTC	1058

Ole18	GCGAGCTCCTCGACCGACCTGTGTAGCCCATGCAAGCATCCACCCCGCCACGTACACCC	1075
AY427563	GCGAGCTCCTCGACCGACCTGTGTAGCCCATGCAAGCATCCACCCCGCCACGTACACCC	1118

Ole18	CCTCTCCTCCCTACGTGTACCGCTCTCTCCACCTATATATGCCACCTGGCCCCCTCTC	1135
AY427563	CCTCTCCTCCCTACGTGTACCGCTCTCTCCACCTATATATGCCACCTGGCCCCCTCTC	1178

Ole18	CTCCCATCTCCACTTCACCCGATCGCTTCTTCTTCTTCTTCGTTGCATTCATCTTGCTAG	1195
AY427563	CTCCCATCTCCACTTCACCCGATCGCTTCTTCTTCTTCTTCGTTGCATTCATCTTGCTAG	1238

Ole18	CTCGCTAGCA	1206
AY427563	CTAGCTTAGCA	1249
	** *****	