

S4 Table: Oligos used in this study

Name	Sequence (5'-3')
PywaC-luxABCDE-u1	TTAAAAACTGGTCTGATCGGATCCTAGAAGCTTGCCTCATACG GGATTG
PywaC-luxABCDE-l1	CCGATGATAAGCTGTCAAACATGAGAATTCAACTATCAAACGC TTCG
BamHI-PyjeA-u1	GGCAGGATCCGGACGCGGATAATAATAAGGCTG
Sall-PyjeA-l1	GGCAGTCGACCGTAGCCATTTTCGATTTACTC
BamHI-PyoeB-u1	GGCAGGATCCCAAGAGGTTCTTGTGATGTTTCC
Sall-PyoeB-l1	GGCAGTCGACCAAAATCTCTTTCTCTTATGTTAC
BamHI-PyocH-u1	GGCAGGATCCGAAATACAGGCTTATGCAAGGATG
Sall-PyocH-l1	GGCAGTCGACGTTAGCTTTTTATTGGCGGCTAACAGG
LG66	GGCCGGATCCGAGAACCGGCCCTGCGGC
LG67	GGCCGAATTCTTATTTGTCGTCGTCGTCCTTATAGTCGTCCT GTTCTGGGTTTCTCAA (bold is FLAG+STOP)
LG129	GGCCCATATGGAGCTTGCGAAAGGGAATTC
LG130	GCTGCATATGGATAAAAAGATCCTTGTAG
LG134	GGCCGACGTCCTTAGTGATGGTGATGGTGATGCGCTTCATCC CAATCATCC
LG135	CCAGCTCGAGTTAGTGATGGTGATGGTGATGGTCCTGTTCT GGGTTTCTCAA
LG174	GCTGGAATTCATTTTGATTTTCCTCCTGC
LG177	GTCGGGTACCCACGCGAAGCACCGTTAATT
LG178	TGCGGGATCCCGCATATAAGTTGGTCTGAG
LG179	GTCGGTCGACATGAATAAGGTTGGTTTTTTTCGG
LG189	GCTGATGACTATGTCGCAAACCATTCAGC
LG190	GCTGAATGGTTTTGCGACATAGTCATCAGC
LG225	GTGCTGAATGGTTTTGAGACATAGTCATCAGCAC
LG242	CTGATGACTATGTCTCAAACCATTCAG
LG298	GCTGCATATGAAAATATTAATGATAGAAG
LG299	ATGTCTCGAGTTAGTGATGGTGATGGTGATGATCTTCATCAA ATTTATACC
LG300	ACTACCATGGCGGAAAAAGGACACATATTAAT
LG301	ATGTCTCGAGTTAGTGATGGTGATGGTGATGCCCCCTTAATG GCATAGCC
LG302	GCTGCATATGGCCTATCGAATATTAGTCGT
LG303	ATGTCTCGAGTTAGTGATGGTGATGGTGATGAGATGCGCCA AATCGATA

LG304	ACTT <u>CCATGG</u> CGTATCGGATTTTGCTTGTGGAAGATG
LG305	ATGTCTCGAGTTAGTGATGGTGATGGTGATGACATTCCGCT TCATCCTTC
LG306	GCTACATATGTCATACACCATTTATCTAGTTG
LG307	ATGTCTCGAGTTAGTGATGGTGATGGTGATGTGATGACATC ATCCTGTAG
LG318	CCAGCTCGAGTTAGTCCTGTTCTGGGTTTCTCAA
LG319	ATGT <u>CATATGA</u> ACAAGAAAATTTTAGTTG
LG321	TCATGGCTAGCCTCAGGGTGTTAATAGTTGATG
LG322	ACGCGGATCCTTAGTGATGGTGATGGTGATGAATATGGAGC AGCTTTTTC
LG318	CCAGCTCGAGTTAGTCCTGTTCTGGGTTTCTCAA
LG319	ATGT <u>CATATGA</u> ACAAGAAAATTTTAGTTG
LG321	TCATGGCTAGCCTCAGGGTGTTAATAGTTGATG
LG322	ACGCGGATCCTTAGTGATGGTGATGGTGATGAATATGGAGC AGCTTTTTC
LG338	ACTACCATGGAAAATGCGTCAATTTTAATCG
LG339	AAA <u>ACTGCAGG</u> AATAAGGTTGGTTTTTTTCGGTC
LG420	GCTCTAGACGACCAAAATCAAGCACGTT
LG421	CGCGGATCCTATTGTCATGCTGGTCAACT
LG422	ACGCGTCGACATAAACAACCTGGCGATAAAG
LG423	CGGGGTACCAAGCGGGTGGGTAATGGTTC
SFP59	TATCCATGGCTCATCATCATCATCATGCTCTAATCGGCA AGCGGATCAGC
SFP60	TATCTGCAGTTATCATTTTCTTTTGCCGTTCTTC

Note: underlined sequences denote restriction sites.