

S11 Table. Mean and standard deviation of proportion of sites with particular number of MAF alleles in the VIKING and LBC cohorts.

		number MAF alleles in known SNPs							number MAF alleles in ultra-rare SNPs		
		1	2	3	4-5	6-10	11-20	21-50	1	2	3+
VIK	mean	0.190	0.090	0.060	0.077	0.120	0.154	0.320	0.881	0.093	0.027
	s.d.	5.6×10^{-17}	8.4×10^{-17}	2.0×10^{-3}	4.5×10^{-3}	2.0×10^{-16}	4.9×10^{-3}	2.2×10^{-16}	6.8×10^{-3}	5.6×10^{-3}	4.6×10^{-3}
LBC	mean	0.220	0.080	0.050	0.070	0.115	0.150	0.310	0.980	0.010	0.010
	s.d.	1.1×10^{-16}	5.6×10^{-17}	9.8×10^{-17}	8.4×10^{-17}	5.0×10^{-3}	2.5×10^{-16}	5.6×10^{-16}	4.5×10^{-16}	7.0×10^{-18}	7.0×10^{-18}

		number MAF alleles in known INDELs							number MAF alleles in ultra-rare INDELs		
		1	2	3	4-5	6-10	11-20	21-50	1	2	3+
VIK	mean	0.186	0.089	0.057	0.079	0.120	0.160	0.320	0.863	0.096	0.040
	s.d.	4.9×10^{-3}	3.0×10^{-3}	4.6×10^{-3}	2.6×10^{-3}	2.0×10^{-16}	1.1×10^{-16}	2.2×10^{-16}	7.1×10^{-3}	6.0×10^{-3}	1.4×10^{-3}
LBC	mean	0.211	0.080	0.050	0.070	0.120	0.150	0.310	0.970	0.010	0.020
	s.d.	2.9×10^{-3}	5.6×10^{-17}	9.8×10^{-17}	8.4×10^{-17}	2.0×10^{-16}	2.5×10^{-16}	5.6×10^{-16}	7.8×10^{-16}	1.7×10^{-3}	1.4×10^{-17}