

Petersen DC, et al. **Complex Patterns of Genomic Admixture within Southern Africa**

Table S11. Allele sharing distances within (gray blocks) and between populations using identity-by-state (IBS) and including Fst distance values.

	Ju/'hoan	!Xun	#Khomani	Mbuti	Biaka	Xhosa	Hadza	Sandawe	Baster	Coloured	Luhya	Yoruba	Maasai	European	Han Chinese
	<i>Fst-values</i>														
Ju/'hoan	0.224	0.047	0.045	0.116	0.096	0.091	0.133	0.098	0.093	0.092	0.101	0.104	0.105	0.151	0.188
!Xun	0.24	0.245	0.042	0.102	0.078	0.071	0.114	0.077	0.078	0.075	0.077	0.079	0.082	0.13	0.169
#Khomani	0.249	0.256	0.254	0.273	0.275	0.275	0.283	0.283	0.28	0.282	0.309	0.285	0.287	0.304	0.311
Mbuti	0.266	0.269	0.09	0.237	0.268	0.091	0.127	0.091	0.104	0.099	0.085	0.09	0.094	0.145	0.182
Biaka	0.27	0.271	0.066	0.08	0.255	0.057	0.1	0.062	0.076	0.07	0.051	0.051	0.062	0.115	0.151
Xhosa	0.274	0.272	0.056	0.278	0.274	0.268	0.284	0.281	0.062	0.054	0.033	0.032	0.282	0.1	0.138
Hadza	0.281	0.281	0.099	0.284	0.283	0.089	0.247	0.075	0.093	0.087	0.076	0.082	0.075	0.123	0.162
Sandawe	0.283	0.281	0.061	0.284	0.283	0.047	0.284	0.273	0.049	0.043	0.033	0.038	0.03	0.076	0.119
Baster	0.283	0.285	0.05	0.294	0.292	0.29	0.296	0.29	0.277	0.02	0.312	0.296	0.29	0.283	2.297
Coloured	0.285	0.286	0.05	0.293	0.291	0.288	0.295	0.289	0.281	0.283	0.313	0.293	0.29	0.286	0.296
Luhya	0.285	0.282	0.062	0.282	0.278	0.274	0.284	0.28	0.056	0.047	0.272	0.019	0.28	0.085	0.124
Yoruba	0.287	0.283	0.066	0.284	0.278	0.274	0.287	0.283	0.061	0.051	0.296	0.268	0.283	0.091	0.129
Maasai	0.289	0.287	0.065	0.288	0.285	0.045	0.286	0.281	0.045	0.039	0.028	0.034	0.277	0.068	0.112
European	0.311	0.309	0.104	0.313	0.31	0.307	0.308	0.301	0.034	0.037	0.322	0.309	0.299	0.267	0.299
Han Chinese	0.317	0.315	0.144	0.319	0.316	0.314	0.315	0.31	0.091	0.083	0.332	0.316	0.309	0.098	0.246