

A

Tem8-1 PLCCTVIIKEVPPPPAEESEEEEDDDGLPKKKWPTVDASYGGRGVGGIKRMEVRWG
Tem8-2 PLCCTVIIKEVPPPPAEESEENKIK
cmg2-4 PLCCKVVIKDPPPPPPPAPKEEEEEPLPTKKWPTVDASYGGRGVGGIKRMEVRWG

Tem8-1 EKGSTEEGAKLEKAKNARVKMPEQEYEFPEPRNLNNMRRPSSPRKWYSPIKGKLD
cmg2-4 DKGSTEEGARLEKAKNAVVKIPEETEPIRPRPPRPKPTHQPPQTKWYTPIKGRLD

Tem8-1 ALWVLLRKGYDRVSVMRPQPGDTGRCINFTRVKNNQPAKYPLNNAYHTSSPPPAPI
cmg2-4 ALWALLRRQYDRVSLMRPQEGDEV CIWECIEKELTA

Tem8-1 YTPPPPAPHCPPPPPSAPTPIIPSPSTLPPPPQAPPPNRAPPPSRPPRPSV

