**S1 File. DNA sequences for the GmScreamM8 intron and intron fragments.**

>Full intron

**GT**TCGTTATCTACCACCGTTCTATGGATTTTATTCCTTCTATTCGTGTTTATTCTATTGGTTTATGTTGCTTGCAATATGTTTTTTCTGAATCTGTCGTCGTTGTCTTCAATTTTATCCATGTTTCAGAGATCAATTTTGTTTGTGTAGTATGTGCTTATTCTTCTTCTTTTCGTTCGAGTTGTTAATAACGGTGCTATGGTGTTTTCAAAAGTGTTTTTTTTATTACTTTTGATTTAAAGTTTTTTTGGTAAGGCTTTTATTTGCTTGTTATATTCAAATCTTTGGATCCAGATCTTATATAAGTTTTTGGTTCAAGAAAGTTTTTGGTTACTGATGAATAGATCTATTAACTGTTACTTTAATCGATTCAAGCTAAAGTTTTTTGGTTACTGATGAATAGATCTATTATCTGTTACTTTTAATCGGTTCAAGCTCAAGTTTTTTGGTTACTGATGAATAGATCTATATACGTCACAGTGTGCTAAACATGCCCTTGTTTTATCTCGATCTTATGTATGGGAGTGCCATAAATTTTGTTATGTCTATTTTTTTATCTGTTGGAATCATACTGAGTTTGATGCGTTACGATTGAGCATACCTATTTTTGGGCTTGTTGTATGGTGGGTATTTAGATCTTAATCTTTTTATGCTTATGAAAGGTTTTGTAATGACAAAGGTCTTAATGTTGTTAAACTTTTATTTTTACTTTATATGGTGTGTTGATGTGTTATGGTTTTGACAACTTTTTTTTTTTCTGGATTTTTGC**AG** (**GT**: donor splice site; **AG:** acceptor splice site; TTTTGAC is branch site, predicted by SVM-BPfinder: http://regulatorygenomics.upf.edu/Software/SVM\_BP/)

>Intron part2

CTATGGATTTTATTCCTTCTATTCGTGTTTATTCTATTGGTTTATGTTGCTTGCAATATGTTTTTTCTGAATCTGTCGTCGTTGTCTTCAATTTTATCCATGTTTCAGAGATCAATTTTGTTTGTGTAGTATGTGCTTATTCTTCTTCTTTTCGTTCGAGTTGTTAATAACGGTGCTATGGTGTTTTCAAAAGTGTTTTTTTTATTACTTTTGATTTAAAGTTTTTTTGGTAAGGCTTTTATTTGCTTGTTATATTCAAATCTTTGGAT

>Intron part3

CCAGATCTTATATAAGTTTTTGGTTCAAGAAAGTTTTTGGTTACTGATGAATAGATCTATTAACTGTTACTTTAATCGATTCAAGCTAAAGTTTTTTGGTTACTGATGAATAGATCTATTATCTGTTACTTTTAATCGGTTCAAGCTCAAGTTTTTTGGTTACTGATGAATAGATCTATATACGTCACAGTGTGCTAAACATGCCCTTGTTTTATCTCGATC

 >Intron part4

TTATGTATGGGAGTGCCATAAATTTTGTTATGTCTATTTTTTTATCTGTTGGAATCATACTGAGTTTGATGCGTTACGATTGAGCATACCTATTTTTGGGCTTGTTGTATGGTGGGTATTTAGATCTTAATCTTTTTATGCTTATGAAAGGTTTTGTAATGACAAAGGTCTTAATGTTGTTAAACTTTTATTTTTACTTTATATGGTGTGT