**Supporting information Table S1**

|  |  |
| --- | --- |
| Sequence ID | Nucleotide sequence (5’ – 3’) |
| >Contig (3208bp) | AACACTACTGATTCAGACATTAATCTTAAGTATCCAGGGAGCCCTAAAACATTGTATCCCACTAGCAAGGACCATGGTAATTGCCACGTAAATCCCCTCCATTATGTGGCCCTTATTATGACCAGCCAGCCAAGGCTTGCCTTTAAATCATACCAATTGAACCGAGCCTTGTAGAAACACTATCACCTACGCATACCTCTGCTTCTTTTCATTAACCTGCTATCCTCTTTACAAATGGGATTCTTCACCCACTCCCTTCTTCTAGATTAGCAATGCCCTGTTAAGTAAACGAACACGAAATTCAAAGGGAAACAGGAGCAATCATCATTACCAGCTGCCGTGTTAAGCATTGCGAAAACGCTCACGATTCACAGAAAAATCCATGCTGTTCTTTGAAGGCATTCAAGCCTTAATAGCTAGCTGGATGAATGTTTAACTTCTAGGCCAGGCACTACTCTGTCCCAACAATAAGCCCTGTACATTGGGAAAGGTGCCGAGACATGAACTTTGGTCTTCTCTGCAATCCATCTGGAGCATTCACTGACAACATCGACTTTGAAGTTGCACTGACCTGGCCAGCCCTGCCACTTACCAGGTTGGGTAAGTTATTCATTTCTTTATTAATTCATTCATTCATTCAATTTATGGGTATTTTGTGTCATACACTTGCTAGGCACAACATATATATATATGTGTGTGTATATATATGTGTGTGTGTGTGTGTATATATATACACACACACATATATAAAATCAGTAAAGTAATGAGAACTCAGAAAAAGAGCAATTTAACCAGAATTGGAAGGTCAAGGAGGGCCGCCTGGAGGAAACAATATCTAAGCTAAAACATGGAGACTGAGGAGTATGAGGCCAAATTTTCTCTTCTGTGAAATGGGCATGATGCTCTCTTGAAAAGCAGTAGTGATGTTAAGTCAGATGATTTTCTTAAAATGGACAATGGCTTTGGACTCCGATTTGGCATTTGACAAATATTATTAAAGTTTTTGTCTGGTTATTAACTGTTGGTAATCCATATTTTAGGGTTCCTGCAGGTGGTGGCAATAAGCAGGATATTCCTAAGGTTTCTGCATACCAATATAGAGTATTTAGGGTGCAGTTACCTGACCCAAATAAATTTGGTTTACCTGATAATAGTATTTATAATCCTGAAACACAACGTTTAGTGTGGGCCTGTGCTGGAGTGGAAATTGGCCGTGGTCAGCCTTTAGGTGTTGGCCTTAGTGGGCATCCATTTTATAATAAATTAGATGACACTGAAAGTTCCCATGCCGCCACGTCTAATGTTTCTGAGGACGTTAGGGACAATGTGTCTGTAGATTATAAGCAGACACAGTTATGTATTTTGGGCTGTGCCCCTGCTATTGGGGAACACTGGGCTAAAGGCACTGCTTGTAAATCGCGTCCTTTATCACAGGGCGATTGCCCCCCTTTAGAACTTAAAAACACAGTTTTGGAAGATGGTGATATGGTAGATACTGGATATGGTGCCATGGACTTTAGTACATTGCAAGATACTAAATGTGAGGTACCATTGGATATTTGTCAGTCTATTTGTAAATATCCTGATTATTTACAAATGTCTGCAGATCCTTATGGGGATTCCATGTTTTTTTGCTTACGGCGTGAGCAGCTTTTTGCTAGGCATTTTTGGAATAGGGCAGGTACTATGGGTGACACTGTGCCTCAATCCTTATATATTAAAGGCACAGGTATGCGTGCTTCACCTGGCAGCTGTGTGTATTCTCCCTCTCCAAGTGGCTCTATTGTTACCTCTGACTCCCAGTTGTTTAATAAACCATATTGGTTACATAAGGCACAGGGTCATAACAATGGTGTTTGCTGGCATAATCAATTATTTGTTACTGTGGTAGATACCACTCGCAGTACCAATTTAACAATATGTGCTTCTACACAGTCTCCTGTACCTGGGCAATATGATGCTACCAAATTTAAGCAGTATAGCAGACATGTTGAGGAATATGATTTACAGTTTATTTTTCAGTTGTGTACTATTACTTTAACTGCAGATGTTATGTCCTATATTCATAGTATGAATAGCAGTATTTTAGAGGATTGGAACTTTGGTGTTCCCCCCCCGCCAACTACTAGTTTGGTGGATACATATCGTTTTGTACAATCTGTTGCTATTACCTGTCAAAAGGATGCTGCACCGGCTGAAAATAAGGATCCCTATGATAAGTTAAAGTTTTGGAATGTGGATTTAAAGGAAAAGTTTTCTTTAGACTTAGATCAATATCCCCTTGGACGTAAATTTTTGGTTCAGGCTGGATTGCGTCGCAAGCCCACCATAGGCCCTCGCAAACGTTCTGCTCCATCTGCCACTACGTCTTCTAAACCTGCCAAGCGTGTGCGTGTACGTGCCAGGAAGTAATATGTGTGTGTGTATATATATATACATCTATTGTTGTGTTTGTATGTCCTGTGTTTGTGTTTGTTGTATGATTGCATTGTATGGTATGTATGGTTGTTGTTGTATGTTGTATGTTACTATAATTGTTGGTATGTGGCATTAAATAAAATATGTTTTGTGGTTCTGTGTGTTATGTGGTTGCGCCCTAGTGAGTAACAACTGTATTTGTGTTTGTGGTATGGGTGTTGCTTGTTGGGCTATATATTGTCCTGTATTTCAAGTTATAAAACTGCACACCTTACAGCATCCATTTTATCCTACAATCCTCCATTTTGCTGTGCAACCGATTTCGGTTGCCTTTGGCTTATGTTTGTGGTTTTCTGCACAATACAGTACGCTGGCACTATTGCAAAATTTAATCTTTTGGGCACTGCTCCTACATATTTTGAACCATTGGCGCGCCTCTTTGGCGCATACAAGGCGCACCTGGTATTAGTCATTTTCCTGTCCAGGTGCGCTACAACAATTGCTTGCATAACTATATCCACTCCCTATGTAATAAAACTGCTTTTAGGCACATATTTTAGTTTGTTTTTACTTAAGCTAATTGCATACTTGGCTTGTACAACTACTTTCATGTCCAACATTCTGTCTACCCTTAACATGAACTATAATATGACTAAGCTGTGCATACATAGTTTATGCAACCGAAATAGGTTGGGCAGCACATACTATACTTTTCATTAATACTTTTAACAATTGTAGTAAACTTAGCTTCTTGCTCGTCTCATGGTTGCTTTTTTTTCTTTTTCCTTTT |