

Table S3. Predicted targets of differentially expressed miRNAs identified from the laCL/liCL comparison.

Symbol	Predicted target genes (2 databases, 3 databases)
miR-31*	
miR-31	aquaporin4 <i>Dlx4</i> <i>Tfap2a</i> <i>Axin1</i> <i>Odc</i>
miR-708*	
miR-96	<i>Dlx2</i> integrin b1 <i>Msx2</i> <i>Runx1</i> <i>Tgfb2</i> <i>Tip2</i> <i>Mmp2</i> <i>Tbx1</i>
miR-429	fibronectin kallikrein4 <i>Pitx2</i> reelin <i>Ror2</i> <i>Sema3f</i> <i>Snai1</i>
miR-200a	<i>Fgf7</i> <i>Mme</i> <i>Mmp13</i> notch1 <i>Runx1</i> <i>Dlx5</i> <i>Pigpen</i> <i>Pitx2</i>
miR-455*	
miR-205	<i>Arnt</i> <i>Axin2</i> <i>Dlx6</i> <i>Mmp2</i> <i>Pax9</i> <i>Tgfb3</i> <i>Traf3</i> activin bA
miR-203	<i>Barx1</i> <i>Col4a1</i> <i>Dlx5</i> <i>Fgf7</i> <i>Gli3</i> <i>Hand2</i> integrin av tenascin C versican ectodin
miR-200a*	
miR-200c	fibronectin kallikrein4 occludin phosphacan <i>Snai1</i> reelin <i>Ror2</i>
miR-182	<i>Epha7</i> <i>Hand1</i> laminin a1 <i>Oasis</i> <i>Tbx1</i> <i>Rarg</i>
miR-183	integrin a6 jagged1 <i>Msx1</i> notch1 <i>Plu1</i> <i>Slitrk6</i> integrin b1 <i>Spry2</i>
miR-200b	fibronectin kallikrein4 phosphacan reelin <i>Ror2</i> <i>Slit2</i> <i>Snai1</i>
miR-326	<i>Axin2</i> <i>Bmp4</i> clusterin ectodin <i>Gli2</i> <i>Hspg2</i> <i>Irx2</i> midkine notch3 plakoglobin <i>Rarg</i> <i>Ror2</i> <i>Runx1</i> <i>Tfap2c</i> <i>Tlx1</i> activin bA neuropilin1 tenascin C
miR-200b*	
miR-183*	
miR-708*	
miR-211	<i>Bmp7</i> cerebroglycan <i>Dlx1</i> <i>Dlx4</i> <i>Egr1</i> <i>Fgf8</i> <i>Hspg2</i> <i>Mmp13</i> plakoglobin <i>Pvr1</i> <i>Tfap2c</i>
miR-222	ameloblastin <i>Dlx1</i> <i>Gfra1</i> <i>Irx5</i> jagged1 <i>Lhx8</i> reelin <i>Sema3b</i>
miR-140*	
miR-23a	ameloblastin <i>Bmp3</i> <i>Ikka</i> <i>Pax9</i> <i>Runx1</i> <i>Rxrg</i> <i>Tip2</i>
miR-551b	<i>Bmp5</i> integrin b4 <i>Sp6</i> <i>Spry1</i> <i>Tgfb3</i>
miR-652	<i>Cspg4</i> integrin av islet1 <i>Runx1</i> <i>Tgfb3</i>
miR-199b*	
miR-214*	