

[illegible]

Epitope coding region

111

220

[illegible]

	1 st indel	2 nd indel	
Allele-1 (24)	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	330
Allele-2 (11)	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-3 (2)	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-4 (2)	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-5	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-6	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-7	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-8	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-9	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-10	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-11	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-12	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-14 (3)	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-20	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-22	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-25	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-29	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-32	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-33	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-34	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-13 (7)	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-15 (2)	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-16	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-18	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-21	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-23	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-26	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-27	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-28	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-30	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-31	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-35	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	AGGCTCCACACCTACACCAACGACAATAA	
Allele-17	AGGCTCCACACCTACACCA-----	AGGCTCCACACCTACACCA-----	
Allele-19	AGGCTCCACACCTACACCA-----	AGGCTCCACACCTACACCA-----	
Allele-24	AGGCTCCACACCTACACCA-----	AGGCTCCACACCTACACCA-----	
	*****	*****	*****

[illegible]

Figure S1. Multiple sequence alignment of 35 Tp1 alleles obtained in this study