

Supplementary Table S1. Prediction of nuclear (NLS) and nucleolar localization signals (NoLS) in small subunit ribosomal proteins. The percentage % of basic residues is also indicated. Prediction of NLS was made with PSORT II and prediction of NoLS using NoD.

RP	NLS score	NLS	basic residues (%)	NoLS
RPS2	-0,47	0	16,4	0
RPS3	-0,16	1	15,6	0
RPS3A	0,27	2	19,7	1
RPS4X	-0,47	0	18,6	0
RPS4Y	-0,47	0	18,6	0
RPS5	-0,47	0	16,2	0
RPS6	2,6	7	27,3	2
RPS7	0,12	2	19,6	1
RPS8	5,79	13	26,6	1
RPS9	1,81	3	23,7	1
RPS10	-0,04	1	18,8	0
RPS11	1,16	2	22,2	0
RPS12	-0,22	1	15,9	0
RPS13	0,97	1	21,2	0
RPS14	-0,04	1	17,9	0
RPS15	1,28	2	21,4	2
RPS15A	-0,29	1	16,9	0
RPS16	0,48	0	20,5	0
RPS17	0,36	2	19,3	0
RPS18	0,48	0	23,7	0
RPS19	-0,47	0	18,6	0
RPS20	-0,47	0	19,3	0
RPS21	-0,47	0	14,8	0
RPS23	0,48	0	22,4	1
RPS24	1,71	2	27,1	1
RPS25	2,02	4	26,4	1
RPS26	0,79	1	25,2	2
RPS27	0,85	6	17,9	1
RPS27A	5,5	12	22,4	1
RPS28	0,48	0	20,3	0
RPS29	-0,47	0	19,6	0
RPS30	0,41	3	17,3	1