

Supplemental Figure 2. Alignment of NF-κB alleles.

	10	20	30	40	50	60
NvNFkB_C67	ATGGCACAGTCTGAACAGCAAGTGGGTAGTGCTCTCACAGAAAGCATGTTAAATGAGATC					
NvNFkB_S67	ATGGCACAGTCTGAACAGCAAGTGGGTAGTGCTCTCACAGAAAGCATGTTAAATGAGATC					
	M A Q S E Q Q V G S A L T E S M L N E I					
	70	80	90	100	110	120
NvNFkB_C67	ATTCAACCTGGTTATCTACCAAGATATCAGTGCTCTGCATGTCCCATTAGGCACAAATGCA					
NvNFkB_S67	ATTCCACCTGGTTATCTACCTTGATATCAGTGCTCTGCATGTCCCATTAGGCACAAATGCA					
	I Q/R P G Y L P D I S A L H V P L G T N A					
						1
	130	140	150	160	170	180
NvNFkB_C67	GAGGAGCCTTCTTACACCGAGCCCTACCTAGAAATTCTTGAACAGCCTAAACCGGCATGG					
NvNFkB_S67	GAGGAGCCTTCTTACACCGAGCCCTACCTAGAAATTCTTGAACAGCCTAAACCGGCATGG					
	E E P S Y T E P Y L E I L E Q P K P [.....					
Allele C1						GCATGG
Allele C2						GCATGG
Allele C3						ACATGG
Allele C4						ACATGG
Allele S1						GCATGG
	2		3	4		5
	190	200	210	220	230	240
NvNFkB_C67	AAAGAATGATTAATTGAATTAATTGTAGCGTGGTTTCCGGTTCCGATACCCATGCGAAGG					
NvNFkB_S67	AAATAATGATTAATTGAATTAATTTTAGCGTGGTTTCCGATTCCGATACCCAAGTGAAGG					
intronic.....]	R G F R F R Y P C/S E G				
Allele C1	AAAGAATGATTAATTGAATTAATTGTAGCGTGGTTTCCGGTTCCGATACCCATGTTGAAGG					
Allele C2	AAAGAATGATTAATTGAATTAATTGTAGCGTGGTTTCCGGTTCCGATACCCATGTTGAAGG					
Allele C3	AAAGAATGATTAATTGAATTAATTGTAGCGTGGTTTCCGGTTCCGATACCCATGTTGAAGG					
Allele C4	AAAGAATGATTAATTGAATTAATTGTAGCGTGGTTTCCGGTTCCGATACCCATGTTGAAGG					
Allele S1	AAATAATGATTAATTGAATTAATTTTAGCGTGGTTTCCGATTCCGATACCCAAGTGAAGG					
	250	260	270	280	290	300
NvNFkB_C67	GCCTTCCCATGGGGGACTCCCTGGGCAGTTTTTCGACTTCTAAAAGCAAGTCATACCCGTC					
NvNFkB_S67	GCCTTCCCATGGGGGACTCCCTGGGCAGTTTTTCGACTTCTAAAAGCAAGTCATACCCGTC					
	P S H G G L P G Q F S T S K S K S Y P S					
Allele C1	GCCTTCCCATGGGGGACTCCCTGGGCAGTTTTTCGACTTCTAAAAGCAAGTCATACCCGTC					
Allele C2	GCCTTCCCATGGGGGACTCCCTGGGCAGTTTTTCGACTTCTAAAAGCAAGTCATACCCGTC					
Allele C3	GCCTTCCCATGGGGGACTCCCTGGGCAGTTTTTCGACTTCTAAAAGCAAGTCATACCCGTC					
Allele C4	GCCTTCCCATGGGGGACTCCCTGGGCAGTTTTTCGACTTCTAAAAGCAAGTCATACCCGTC					
Allele S1	GCCTTCCCATGGGGGACTCCCTGGGCAGTTTTTCGACTTCTAAAAGCAAGTCATACCCGTC					
			7			
	310	320	330	340	350	360
NvNFkB_C67	TGTCCAGGTAATTCTATTGTTTACCTCGTGAACAACCTACCAAGGACCATGTAGAATAGTT					
NvNFkB_S67	TGTCCAGGTAATTCTATTGTTTACCTGGTGAACAACCTACCAAGGACCATGTAGAATAGTT					
	V Q [.....intronic.....]	V N N Y Q G P C R I V				
Allele C1	TGTCCAGGTAATTCTATTGTTTACCTC					
Allele C2	TGTCCAGGTAATTCTATTGTTTACCTG					
Allele C3	TGTCCAGGTAATTCTATTGTTTACCTG					
Allele C4	TGTCCAGGTAATTCTATTGTTTACCTC					
Allele S1	TGTCCAGGTAATTCTATTGTTTACCTG					
	370	380	390	400	410	420
NvNFkB_C67	GTAACCTTGGTTACAAAAGATGAACCTTATATGCTACATGCACATAGTTTAACTGGGAAG					
NvNFkB_S67	GTAACCTTGGTCACAAAAGATGAACCTTATATGCTACATGCACATAGTTTAACTGGGAAG					
	V T L V T K D E P Y M L H A H S L T G K					
	430	440	450	460	470	480
NvNFkB_C67	AATGCTAATGAAGAAGGAGTAGTCACCGTCAAGTGGGGCCGGATCAACACATGACAGCG					
NvNFkB_S67	AATGCTAATGAAGAAGGAGTAGTCACCGTCAAGTGGGGCCGGATCAACACATGACAGCG					
	N A N E E G V V T V Q V G P D Q H M T A					
	490	500	510	520	530	540
NvNFkB_C67	AGCTTCCCAAACCTTGGGAATCCAGCATGTCACTAAAAAGAATGTTGTTAAAGTACTAATG					

NvNFkB_S67 AGCTTCCCAAACCTTGGGAATCCAGCATGTCACTAAAAAGAATGTTGTTAAAGTACTAATG
S F P N L G I Q H V T K K N V V K V L M
550 560 570 580 590 600
NvNFkB_C67 GATAGATTTATAAAGTGGCAAACCTCTGCAAATGCAACTTTTCGCCAAATTGTCAGAAGGT
NvNFkB_S67 GATAGATTTATAAAGTGGCAAACCTCTGCAAATGCAACTTTTCGCCAAATTGTCAGAAGGT
D R F I K W Q T L Q N A T F A K L S E G
610 620 630 640 650 660
NvNFkB_C67 ATCAAGGATGGTGTAGACCTATCACTCTTTGGTGTCAATACAGCCATAAACTCAAACAAG
NvNFkB_S67 ATCAAGGATGGTGTAGACCTATCACTCTTTGGTGTCAATACAGCCATAAACTCAAACAAG
I K D G V D L S L F G V N T A I N S N K
670 680 690 700 710 720
NvNFkB_C67 CTTGGGTTTTGACAAAACTGTGGCGCTCTCTGTGCGCAAACGAAGAAGTTGCCAAAAGTAGA
NvNFkB_S67 CTTGGGTTTTGACAAAACTGTGGCGCTCTCTGTGCGCAAACGAAGAAGTTGCCAAAAGTAGA
L G F D K S/N V A L S V A N E/Q E V/A A K S R
730 740 750 760 770 780
NvNFkB_C67 GAGTACGCTGAGCAACAGGCCGCTGCCATGGATCTAAGTGCTGTGAGACTCTGCTTCCAG
NvNFkB_S67 GAGTACGCTAAGCAACAGGCCGCTGCCATGGATCTAAGTGCTGTGAGACTCTGCTTCCAG
E Y A E/K Q Q A A A M D L S A V R L C F Q
790 800 810 820 830 840
NvNFkB_C67 GCATACCTACCAGACCAAGACGGCAACTTTACCAGACCTCTGAAGCCAGTGTACTCAGAT
NvNFkB_S67 GCATACCTACCAGACCAAGATGGCAACTTTACCAGACCTCTGAAGCCAGTGTACTCAGAT
A Y L P D Q D G N F T R P L K P V Y S D
850 860 870 880 890 900
NvNFkB_C67 GCTGTCTTGGACTCAAAAGCACCATCAGCATCTCAATTGAAAATCTGTGCGCATGGACAAG
NvNFkB_S67 GCTGTCTTGGACTCAAAAGCACCATCAGCATCTCAATTGAAAATCTGTGCGCATGGACAAG
A V L D S K A/E P S A S Q L K I C R M D K
910 920 930 940 950 960
NvNFkB_C67 AACTCAGGATGTGTAACCTGGTGGTGTGAAATATACCTGCTTTGTGACAAAGTTCAGAAA
NvNFkB_S67 AACTCAGGATGTGTAACCTGGTGGTGTGAAATATACCTGCTTTGTGACAAAGTTCAGAAA
N S G C V T G G D E I Y L L C D K V Q K
970 980 990 1000 1010 1020
NvNFkB_C67 GATGACATTGAGATACTTTTTATGAAATGGATGATATCACTGGCAAGTACACATGGGAA
NvNFkB_S67 GATGACATTGAGATACTTTTTATGAAATGGATGATATCACTGGCAAGTACACATGGGAA
D D I E I H F Y E M D D I T G K Y T W E
1030 1040 1050 1060 1070 1080
NvNFkB_C67 GATTTAGGGAAGTTCTCTCCATGCGATGTGCACCGACAGTTTGCATAGTGTTCAAAAC
NvNFkB_S67 GATTTAGGGAAGTTCTCTCCATGCGATGTGCACCGACAGTTTGCATAGTGTTCAAAAC
D L G K F S P C D V H R Q F A I V F K T
1090 1100 1110 1120 1130 1140
NvNFkB_C67 CCGCCTTATTGGAACATTGCTATCGAGAGACCAGCAAATGTCCTTGTAGAGCTTCGACGT
NvNFkB_S67 CCGCCTTATTGGAACATTGCTATCGAGAGACCAGCAAATGTCCTTGTAGAGCTTCGACGT
P P Y W N I A I E R P A N V L V E L R R
1150 1160 1170 1180 1190 1200
NvNFkB_C67 AAGAAGAATGGTGGGGAACAAGTGAACCTGTGCAATTCACCTACCAGCCACAACCTTTTT
NvNFkB_S67 AAGAAGAATGGTGGGGAACAAGTGAACCTGTGCAATTCACCTACCAGCCACAACCTTTTT
K K N G G E T S E P V Q F T Y Q P Q L F
1210 1220 1230 1240 1250 1260
NvNFkB_C67 GACAAGGAGGCGATTGGTGGCAAACGCCGCAAGACAGTGCCACACTTTACCGACTTTCTT
NvNFkB_S67 GACAAGGAGGCGATTGGTGGCAAACGCCGCAAGACAGTGCCACACTTTACCGAATTTCTT
D K E A I G A K R R K T V P H F T D/E F L
1270 1280 1290 1300 1310 1320
NvNFkB_C67 TCCGGCGGCTCATCTGGAGCTACAGGTGGAGGGGGAAGTTTCAGTGTCCGGATTCAACTTC
NvNFkB_S67 TCCGGCGGCTCATCTGGAGCTACAGGTGGAGGGGGAAGTTTCAGTGTCCGGATTCAACTTC
S G G S S G A T G G G G S S V S G F N F
1330 1340 1350 1360 1370
NvNFkB_C67 CCAGCTGATTTTCTTCAGCAGGGGGTGTTCCTCACCCAAAACCTTCAAACATGTGA
NvNFkB_S67 TCAGCTGATTTTCTTCAGCAGGGGGTGTTCCTCACCCAAAACCTTCAAACATGTGA
P/S A D F L Q Q G V F S/L T Q N P S N M *