

1
DS571152_90156-108875 agaaaaataacaaaaaatagaataacaaataaaaa--aaataaaaaataaaaaacttcataagAAC
Ed_consensus A-AAAAAATAACAAAAATAAGAAATAACAAAAATAAAAAATAAAAAATAAAAACTTCATGAGAAC

69
DS571152_90156-108875 ttaaaagaaaatgacaaaaaaataaaaaaClgacATGAGTTTATCTCAACAGCAAATTGATCAATTGA
Ed_consensus TTAAAAGAAAAAGAAAAAAACAAAAAGT-ATATGACTTCATCTCAACACAAATTGATCAATTGA

137
DS571152_90156-108875 TTCAAAACCTATATGGCAATGACAAATGAAATTAAAAACAACAACCTGAAAGAAATTAATGCTGTTATT
Ed_consensus TTCAAAAGCTATATAGTAATGACAAAGAAATTAAGTACAAAATTAAAAGAAATAGATGGTGTATT

205
DS571152_90156-108875 ACAACACATTGGGCAGAAAATTCAGAAGAACTTCCTAAATTTGATTGAATTAAGCGAAACAATAGAAGG
Ed_consensus ACAACACATTGGGCAGAAAATTCAGAAGAACTTCCTAAATTTAATTTGAATTTGAGTGAAACAATAGAAGG

273
DS571152_90156-108875 AATAGGAAAAAATATGCATACCTTGTATTATTAGTAAGTCATATTTTTTACATTGAAAGTTATGATGAAG
Ed_consensus AATAGGAAAAAATATGCATATCTGTATTATTAGTAAATCATACCTTTTATATTGAAAGTTATGATGAAG

341
DS571152_90156-108875 CTGTTAATTATGCATTAAAGGCAGATGAATTTTCAAATTTGAAGGAAATGATAATTATAGTGTAAAA
Ed_consensus CAGTTAATTATGCATTAAAGCAAATGAATTTTCAAATTTGAAGGAAATGATAATTATAGTGTAAAA

409
DS571152_90156-108875 ATGATTACACACTTAATAGATATGTATATTAAGAAGCTAGACAAAAGAAAGAAGTTGATAAATTAAT
Ed_consensus ATGATTACACATTTAATAGATATGTATATTAAGAAGCAAGACAAAAGAAAGAAGTTGACAAATTAAT

477
DS571152_90156-108875 GGAAGATAAAAAGAAATAAATCTTTAAAGAGGCTATTGAGAAAGAAGAAGATATCTAACGATTGGAA
Ed_consensus GGAAGAAAAAATGAATAAATCTTTAAAGAGGCTATTGAGAAAGAAGAAGATATTTAACAAATTGGAA

545
DS571152_90156-108875 TTGCATTAGATTGTAGAAGAGTTGATGTAATTAAGAGATATTAGGAAAAACTAAAGAGAAAGATGAA
Ed_consensus TTGCAATAGATTGTAGAAGAGTTGATGTTATTAAGAGATATTAAAGAAAAACTAAAGAGAAAGAAAGAA

613
DS571152_90156-108875 ATAATAGAAATCTTAAGAAGATAACTAACAGTTCAAGTGTGATTATTTCATTAAAGAATGAAGTTAT
Ed_consensus ATAATAGAAATCTTAAGAAAAATACTAATAGTTCAAATGTTGATTATTTCATTAAAAAATGAAATTAAT

681
DS571152_90156-108875 GGAAATTTCTTCAGAAAGCTTTAATGAAAAATAGTCAAATTTGATTTAGAAAGTATCAGTGAATGTTGGG
Ed_consensus GGAAATTTATTTTCAGAAAGCTTTAATGAAAAATAGTCAAATTTGATTTAGAAAGTATAAGTGAATGTTGGG

749
DS571152_90156-108875 TAAAAAAGAATGATGGAGATGGGTTTATGAAAAATGTTTAACTCAATTAAGTGAAGAAATGAAAAATCAA
Ed_consensus TAAAAAAGAATGATGGAGATGGATTTTATGAAAAATGTTTAACTCAATTAAGTGAAGAAATGAAAAAACA

817
DS571152_90156-108875 GTATTACTTGATTATGAAGGAATTCACAAAAATTTAGAGAAGAATTAATAAGTAAATACCAGAGAA
Ed_consensus GTATTACTTGATTATGAAGGAATTCACAAAAATTTAGAGAAGAATTAATAAGTAAATACCAGAGAA

885
DS571152_90156-108875 GTATCATAAAATATATTGATGGAAAAATCCAAGAGAAGTTGTATTTAGACTTTTTATTCTCTAGAGATA
Ed_consensus ATATCATAAAATATATTGATGGAAAAATCCAAGAAAAATTAATTTAGACTTTTTATTCTCTAGAGATA

953
DS571152_90156-108875 AAAC TGATAATTTATTATTGAATAATATTAATCATCAAATTTGTATTTAAAAGTAGTGTAAATCAAACA
Ed_consensus AAAC TGATAATTTATTATTAAAATAATTAATCATCAAATTTGTATTTAAAAGTAGTGTAAATCAAACA

1021
DS571152_90156-108875 GCAGTATTATATGCTAATGCATTTATGCATTATGGAAACAATAATATTATGTTTTTAAAAGATAATAA
Ed_consensus GCAGTATTATATGCTAATGCATTTATGCATTATGGAAACAATAATATTATGTTTTTAAAAGATAATAA

1089
DS571152_90156-108875 TGATTGGATTATTAATGCAAGTAATTTGGGAAAAATTTGCTACTACAGCTTCTCTGGAGTTTTATTTA
Ed_consensus TGATTGGATTATTAATGCAAGTAATTTGGGAAAAATTTGCTACTACAGCTTCACTTGGAGTTTTATTTA

1157
DS571152_90156-108875 AAGGAAGAGAAAAATGAAGCACTTAATTTAATGTCACCATATACAGCAAATGGAAACAGGAGGAAAAAGT
Ed_consensus AAGGAAGAGAAAAATGAAGCAATTTAATTTAATGTCACCATATACAGCTAATGGAAACAGGAGGAAAAAGT

1225
DS571152_90156-108875 GTTTATGCACAATCAGGAAGATTATATGCATTAGGACTTATCTTTGGAGGACATGGAAAAGAGATTTT
Ed_consensus GTTTATGCACAATCAGGAAGATTATATGCATTAGGACTTATATTTGGAGGACATGGAAAAGAAATTTT

1293
DS571152_90156-108875 AACCAACAATAAAGTATGATGATTTAAAAACAATCAAAAAAGTAGTAAAAATGAAGTTCTTCAACATGGAGCAT
Ed_consensus AACCAATAATAAAGTATGATGATTTAAAAACAATCAAAAAAGTAGTAAAAATGAAGTTCTTCAACATGGAGCAT

1361
DS571152_90156-108875 GTTTAGGAGTTGGATTAGCTGGAATTGCTACAGAAAAATTATGAATTATATCAAGAAGTTAAAGAAAATA
Ed_consensus GTTTAGGAGTTGGATTAGCTGGAATTGCAACAGAAAAATTATGAATTATATCAAGAAGTTAAAGAAAATA

1429
DS571152_90156-108875 TTAATTAATAATGATAGTGCAGTAGCAGGAATGACAGCTGGATTATCCCTTGGATTAATAATGATGGG
Ed_consensus TTAATTAATAATGATAGTGCAGTAGCAGGAATGACAGCAGGATTAGCACTTGGATTAATAATGATGGG

1497
DS571152_90156-108875 ATCAGCTAATTTAGAAGTTGCACAAGAAAATGCTTACACATTTGTCATGAAACAGAACATGATAAAAATTA
Ed_consensus AACAGGGAATTTAGAAGTTGCACAAGAAAATGCTTACATATTTGTCATGAAACAGAACATGACAAAATTA

1565
DS571152_90156-108875 TTAGAGGAACTAGTGTGGAAATAGGATTAGTAATGTTTGGAAATGCAAGATAAAGCTGATGGAATTATA
Ed_consensus TTAGAGGAACTAGTGTGGAAATAGGATTAGTAATGTTTGGAAATGCAAGATAAAGCTGATGAAATTATA

1633
DS571152_90156-108875 GATTTAATGGTTAATGATGCTAATCATGTATTAAAGATATGGAGGAATTTATACAATTGGGTTAGCATA
Ed_consensus GAATTAATGATTAATGATACTAATAATGTATTAAAGATATGGAGGAATGTATACAATTGGATTAGCATA

1701
DS571152_90156-108875 TTGTGGAACCTGCTAATGAAAAGGCTATTAGTAAATTTATTACATTTTGCAGTCCACAGATAGAAGTGATG
Ed_consensus TTGTGGAACCTCTAATGAAAAGGCTATTAGTAAATTTATTACATTTTGCAGTCCACAGATAGAAGTGATG

1769
DS571152_90156-108875 AAGTTAAAAGAGCAGCAGTATTAGTCTTGGATTTATTTTTGAATAAGAGATTAGATGAGTTATGTAAA
Ed_consensus AAGTTAAAAGAACAGCAGTATTAGTACTTGGATTTATTTTTAAATAAAGATTAGATGAATTATGTAAA

1837
DS571152_90156-108875 ACAATTTTATTATTAAATGATTCATATAATCCACATGTTAGATATGGAGCTGCACCTTGCATTAGGTAT
Ed_consensus ATAATTTTATTATAAATGATTCATATAATCCACATGTTAGATATGGAGCTGCACCTTGCATTAGGTAT

1905
DS571152_90156-108875 TGCAGGATGTGCATCAAATGATAGTACTGTTATTGGATTACTTTGAGCCATTATTAAAAGATCCAAATG
Ed_consensus TGCAGGATGTGCATCAAATAATAGTACAGTTATTGGATTACTTTGAACCATTATTAAAAGATCCAAATG

1973
DS571152_90156-108875 ATTTTGTCAAACAAGGAGCTGCCATTGCACCTTGGAAATGGTTTTGATGGAAACATCTATTAAAGAAAAT
Ed_consensus ATTTTGTAAAACAAGGAGCTGCTATTGCACCTTGGAAATGGTTTTAATGGAAACATCAATTAAAGAAAAT

2041
DS571152_90156-108875 GACAAAAGTTGAAAAGTTTATTAAAGACTTACAAAATAAAATATCATTAAAGGTGAAGGAATGTTAAC
Ed_consensus AATAAAATTTGAAACATTTATTAAAGATTTACAAAATAAAATATCATTAAAGGTGAAGGAATGTTAAC

2109
DS571152_90156-108875 TCAATTTGGAAGTATTCCTTGGATTAGGAAATGTTAATGCTGGAGGTAGAAAATTGTACTATTTCAATGT
Ed_consensus TCAATTTGGAAGTATTCCTTGGATTAGGAAATGTTAATGCTGGAGGTAGAAAATTGTACTATTTCAATGT

2177
DS571152_90156-108875 ACAATAATTTAGGTACATTTAATTTAAAAGCTGTTGCAGGATTAGTATTGTTTAAACCAATATTGGTAT
Ed_consensus ATAATAATTTAGGTACATTTAATTTAAAAGCAGTTGCAGGATTAGTATTATTTAATCAATATTGGTAT

2245
DS571152_90156-108875 TGGTATCCATTTACTTTATGCTTTTCATTGTCATTTATTTCCAACAACAATCATTGGGGTTACAGAAGA
Ed_consensus TGGTATCCATTTACTTTATGCTTTTCATTATCATTTATTTCCAACAACAATTATTTGGAGTTACAGAAGA

2313
DS571152_90156-108875 TTTAAAGTATGTTGAGTCATATCAATATAATTTCTAATGCACCATCAGACCAATTTGATTATTTACCAA
Ed_consensus TTTACAGTATAATGAATCATATCAATATAATTTCTAATGCACCATCAGATCAATTTGATTATTTACCAA

2381
DS571152_90156-108875 TGACTAAAACCACCAACAAAAACTGGACATACAAAAATGAACCAAACTAAATTTATCTTATGGGAATAAA
Ed_consensus TAACTAAAACCACCAACAAAAACTGGACATACAAAAATGAATCAAACTAAATTTATCTTATGGGAATAAA

2449
DS571152_90156-108875 CAAGCTGGACAATCACTTAATTTGCTTCTAGTCTTTTAAATTAGTGAAAAAATAACAAATGAAATTAT
Ed_consensus CAAACTGGACAATCACTTAATTTGCTTCTAGTCTTTTAAATTAGTGAAAAAATAACAAATGAAATTAT

2517
DS571152_90156-108875 TCCAGAAGAAAAGAAAAAGGAAGAAGAACCAATTCAAATACAACCATTTGTTACTTTACAAAATGGAA
Ed_consensus TCCAGAAGAAAAGAAAAAGGAAGAAGAACCAATTCAAATACAACCATTTGTTACTTTACAAAATGGAA

2585
DS571152_90156-108875 GTAGAGTCACTCCTCGTCAACTTGAATTTATTACTGAGATAAAAAGGCAGTAGATTTGTTGGAGTTAAA
Ed_consensus GCAGAGTCACTCCTCGTCAACTTGAATTTATTACTGAGATAAAAAGGTAGTAGATTTGTTGGAGTTAAA

2653
DS571152_90156-108875 AAACCAAGGAGAGGTATTTTATCTTGAAAGATACTCAACCTCAAATGGAAGAAGAAAATTCAGGAGT
Ed_consensus AAACCAAGGAGAGGTATTTTAAATTTTAAAAAGATACCCAACCTCAAATGGAAGAAGAAAATTCAGGAAT

2721
DS571152_90156-108875 TATTAAAGATCAAGGAATTGAAATGACAGAAGAACATAAAGCACTTGCTGATGCCCTATTATCCAATA
Ed_consensus TATTAAAGATCAAGGAATTGAAATGACAGATGAACATAAAGCACTTGCTGATGCCCTATTATCCAATA

2789
DS571152_90156-108875 ACAATGATCCAAAAACCCTGAACCATTTGAATGGAACTTTTAATtgaataaagttattht-gg---t
Ed_consensus ACAATGAACCAAAAAACCAGAACCATTTGAATGGAACTTTTAATTTAAAATAAAGTTATTTTTGGTGT

2857
DS571152_90156-108875 tttttttgattatcatttttaaaactactttaaatttaatacaaaaatagtttttt-----
Ed_consensus TTTTTTTATATTAATCAATTTTAAATTCGTTTTTAAACTTAATGAAAAATAGTCTTTTTGATGTTAATTAAGA

2925
DS571152_90156-108875 -----ttttggactattcattaatttgat
Ed_consensus ATATTTAATCAAAATGAAGAAGAAATTCATTTATTATTATATTCTCACAATATCATTATTAAATTTAAT

2993
DS571152_90156-108875 tgaattatgtgaaatgtgacatagtcg-aattaatatttatattatggtttttgatgcatttattttat
Ed_consensus TGACTTATT-GAA-GTAATAAAGTAATATTTAATATTATATTAACAATTTCTGATATATTTATCTTAT

3061
DS571152_90156-108875 tgaattgatataatactctttattttattacaatattgcattattaactttttggtttattcatttattg
Ed_consensus TAAATAAATAGATAAATCTTTCTTATT-----TATTATATTATT-ACATTTTTATTTATTCATTTATTA

3129
DS571152_90156-108875 ttttttggtttgtaattatgattgtaacgacacagtggt-ta-aatgaaatta-----tgaatt
Ed_consensus TTTTTATGTTTATTGTTTATATATTGTAATAGCACAGTATTGTATAATGAACTATTATTAGTGAATT

3197
DS571152_90156-108875 acaacaaacaaaagcgtttttaaatttattattccttagtttgctgaattattattactttgtttcttc
Ed_consensus --AATATAAATGATGTTTTGAACATTTGTT-----TCCTGTTTTTAATTTTTATTA--TTCTTTCTTC

3265
DS571152_90156-108875 tttatattatttttatgatgcttgcttgacattgaactatagatgtaataatattcatttgct
Ed_consensus TTTATTTCATTTTTAT-----CT-----TATCAATCGTGGTTAT-

3333
DS571152_90156-108875 tattcatttctgtttatgaagtattttaattttagaatgtttaactcttcatgatt-tgacaatttt
Ed_consensus TAT-----CTGTTTATGAAATAAATTTAATTTTGAACGATTCCTCCTCTTGGTTATAACAAATTC

3401
DS571152_90156-108875 tttta-attctttcatgaaattctctttattcctttgcttattcaaattcaatttattatgaaatagat
Ed_consensus TTTATATTCCTTC-----ATTCATTTTA-TCCTTGCTTATTCAAATCCAATTTATTATGAAATAGAT

3469
DS571152_90156-108875 gcaaatcagatata-aatctttatactatcctaatttaacttcttattcattctataattgttttcacat
Ed_consensus ATATATCAATACGTTTTCTTCATATTATACTAGTTAAAGT-----TCATACATAAATCTCATTTTATGT

3537
DS571152_90156-108875 tatatttattactatgttttactacattccttttaacttttatttcatcgttatccatagaattatctt
Ed_consensus TATTATTATCACTTCATTTCAI-----TTGTTTTAATCTTTGTTCAATCATTATTCAITTAATTA---T

3605
DS571152_90156-108875 caataattctattgaaatactctattttttatcaataaattgcataaaaaqaattttttctt-ttataa
Ed_consensus CAATAACT-TATT-----TATTTTTATCATTAAATTTATTTGAAACAATCTTTCTTCTTATTA

3673
DS571152_90156-108875 ttcaaaATGAAACAAAAATAACTTAATTTCCAAAAGTTATGCAAATACTGGAATAAAAACCTGTCTTG
Ed_consensus TT-AAAACAAAACAAAAATAACTTAATATCAGAAAGTTAGGCAAAAACCTGGAATAAATATCTGTCTTG

3741
DS571152_90156-108875 GTTCAGTTGCATTACACTTTGATGCTATAAATTTGATAACTTATACTTGTGTTGATTAAGGTGATTGTTT
Ed_consensus ATTCTGTTGCACTACATCTTGAAGCTGTGATTTGGTACCCATTTGGTAAGTGTCTTGAGGTGTTGATTT

3809
DS571152_90156-108875 CCAGTCCATTTTTCTTTTGGTTCAATTCCTTTTCCCTTGCTTGATAACAAAGGTCAACATCAAGTCGATA
Ed_consensus CCAGTCCATACAGATCTACTATCAGATGCTTTTTTTGGCTTGATAACAAAGGTCAAGATCAAGTCGATA

3877
DS571152_90156-108875 AGGAAGATAGAAGTGTCTTTTATATGTAGGCCATTCAAGAGTTTTTTTTCAACGACTCTTCCCCTATTAT
Ed_consensus AGGAAGATAGAAATGCTTTTTATATGTAGGCCATTCAAGAGTTTTTTTTAACCCATCTTCCACCTGAT

3945
DS571152_90156-108875 TATACTTAACTTTGGAGTGGTATTCGGATACCAATCAGTCTGAATAAGGATGAACATAAAACAAAACGT
Ed_consensus TGTATTCAATAGTTGAATGATATTCAGCATAACCATTCATTTGGATATGGATGGACATAAAACAAAACGT

4013
DS571152_90156-108875 TGGTTTTAGTACCTGGTGCATCTGATAAATGGTGGATTTTTGGACCAAATAATAAGTGAATGTCCTTC
Ed_consensus TGATTTTGACTACCTGGTGCCTCTGATAAATGGTGGATTTTTGGACCAAATAATAAGAGTTGACCCCTTC

4081
DS571152_90156-108875 AAAAGCTCCTGCTCTAATATCGTGTACTCTTTTTGGAATTGCATAACTTGTGTACATTCTGTATGGTG
Ed_consensus ATTTGCCCTCCTCTAATATCATGTACTCTTTTTGGCATTGAATAGCATGTATACATTCTATATGGTG

4149
DS571152_90156-108875 CAAATTCAAAGAAATTGAAGTTCATTTCCCTTGTTTCAATGGTCTTAATAAAAATGTTTTGTTCATAACCT
Ed_consensus CAAATTCAAAGAAATTGAAGTTCATTTCCCTTGTTTCAATGGTCTTAATAGAATGTTTTGTTCATAATTT

4217
DS571152_90156-108875 CCATTTGCATATCTTACTGATCTTTTATCATCAAATCCATATCCATAACATATCTATCATCTCCGTT
Ed_consensus CCATTTAGGGTATCTAACTGATCTTTTATCATCAAACCCATATCCATAACATATCTGGTATCACCATT

4285
DS571152_90156-108875 TTTATCATCTGTATCAGTAAACTGTTTTTCAGTTTTGTAATTATAATCAGAAGCAAAAATAACTCTAC
Ed_consensus TATATCTGTCTGCATCAGTAAATGCTTTTGTGTTTTATAAATTGTAATCAGAAGCAAAAATAACTCTAC

4353
DS571152_90156-108875 AACATGTTTTACACTTGGCACGAACATAAATTCCTTGATTTGCACTGAAAACTCCACTCTCAGCAAAAC
Ed_consensus AACATGTTTTACACTTAGCACGAACATAAATTTCTTGATTTGCACTGAAAAACCCATTTTTCAGCAAAAT

4421
DS571152_90156-108875 TGTGAAATCTGATAACTGTTAACATCACTCGTAAAATACGTTGTTAAATTTTGTACCTTGGTTTTGTTT
Ed_consensus CTTTGAATTTGATAACTGTTTACATCACTTGTAAAATCTGAATTAATAAATTTGTATTACGATTCCTCAT

4489
DS571152_90156-108875 TCCATATGGATAAATTTGGAGAAAAATGATCCCTATTATCATTGGTTTTACCAAATGAATAACTTATCA
Ed_consensus TCCATAAGGATAGTTAGTAGAAAAATGATCTCTGTTATCAGAGGTCTTACCAATAGAATAAACTATCA

4557
DS571152_90156-108875 ATAAGATTAATATAATCATtgacaatatttttagatgctctatcgtttaagaataa--tctaaatact
Ed_consensus ATAAGAATAATGCAATCATTGATAAATTTCAAATGAGTTTTATAGTTTTTATAATGAATTATGAATATT

4625
DS571152_90156-108875 tttttga-agaacatattc-----tactttaattcotaataactattagactcaataatctatTTTTTT
Ed_consensus TTTTTAATAGAACATCTTCTGCATACTTTTTTTCAACAACGAATATTCTG-----TTGGTTTA--TTTTTT

4693
DS571152_90156-108875 aaaaaaaga--taaatcactttgTTTTaaaagaagagtcattattgaatataaagtttagtcaaatcgc
Ed_consensus AAAAA--GAAATA-----AAGGCTCCT-----

4761
DS571152_90156-108875 attaattagcaatatgattttacacattatatattacttatttaaggtaagtaaaataaaaaata
Ed_consensus -----CTTTTTTAAGCAAAGT-----

4829
DS571152_90156-108875 ttgagtaagtgatagtglaatglaatTTTTtattcaaaaaaaaaaatttcattctatTTTTTTtagtat
Ed_consensus -----TTTTTGTAAATATAGACACAGTTTT-----

4897
DS571152_90156-108875 aaaaacaaaataacgtcagaagtaatatTTTTTTTtgaatttattccttctgtatgagaattgaa-t
Ed_consensus -----ATAAAGTCAGAA--TAATATTGTTCAATAACAATCAATCTTTTTAAATGATAATTAAACT

4965
DS571152_90156-108875 agaaaaacaagataaattcctttcaccagatcaagacaaggacatatttcgtttcaacattctccta
Ed_consensus AATAATTAATGTGCAT-----TAAATAATTA-----TTATTTTTAAATTTTTTGC--

5033
DS571152_90156-108875 acagaaaaagaaaaagattTTTTtaatgaacgaagaaaaaqaataatgaagttattttaaacaatat
Ed_consensus -----ACAGCTTTATTT-----AAAAGAAAA-----TATTTAAA-----

5101
DS571152_90156-108875 aaattgtttgattaaaaaaagTcaattaatagatatatccactattgaatattatgaatattgagaag
Ed_consensus -----TATAAAAAATA-----ATGAATAT-----

5169
DS571152_90156-108875 tgattatttcagttttcttcaatatgctctattggctgaatagagttcattttctagcatgctcgatta
Ed_consensus -----AGTTTAT--AATTTACTTCAATAATTTAA-----A

5237
DS571152_90156-108875 gattttttttcttcaatgTgctgcccagaattgaatgTgtaaaacattaaagtctttcatatTTTTTat
Ed_consensus CATAGTTTTTGT-----ATGATTTAAATTTTAGGG--TTT-----

5305
DS571152_90156-108875 aattattgttctatgattttggaaaattc-taattgtaatttcagtgattttaaactcttcttgctgac
Ed_consensus -----TGTTTTTAAAAGATTCATAGCTAT--TTTTTATTTATTTTATTTTTATTAAAAAG

5373
DS571152_90156-108875 tttttatgtattaatccattttattgataaataaacagggtattattttctacatatattttttctctatt
Ed_consensus TTTT-----TTAATTCA-----AATA-----ACACAAATTAAT----TATT

5441
DS571152_90156-108875 attttttaattttctcttgaattctttatacttattttttatgaatataatttaattctaaattat
Ed_consensus ATTATTGAAT-----AATATCATTGAGTTTTG-----

5509
DS571152_90156-108875 tatcttgacatatagcaacatctataatatarcatttcttttctttcatatttttgataatatatct
Ed_consensus ----TAAAGAAAAAGCAGGATATA-----ATAAAAACAAGG

5577
DS571152_90156-108875 ggtattctatcattgaaatgaattatcaataaccaataaatctttattgtaagttattacaattttatc
Ed_consensus GGATAAAGAAAGATGAATGAAATAACAATA-----AAATGATAATAAAAAATGGA

5645
DS571152_90156-108875 attattaatacattttatgatgattattaaaaatcaatagcalcaaattcattaaaaatgtgaattaata
Ed_consensus AATATAAATACAAAGAAAAAGG--GTTCAAA--AAGAGAAATAA-----GAAACGAAAAATGAAT-

5713
DS571152_90156-108875 tctgtttatataattttgtttcaaacatattcargttttaatatttgattcttcttcattacatcataa
Ed_consensus -----AAATATAATGA-----TAATA-----AA

5781
DS571152_90156-108875 caagatatgactaatagatgcaatagtgtagggcaatgtttacaatattttaaatgcatcatttttggg
Ed_consensus GAAAAATAGGAATAA--AAATCAAAGGACATTAAGAGAG-----AATGAA-----

5849
DS571152_90156-108875 ttatttttagatttaaatatttcttgcacatagttactcattcttgtatctttactattttggaggaatgca
Ed_consensus -----ATAAAGAGAAA-----

5917
DS571152_90156-108875 tttctttttatgttttaagaccctccatgggctactgttaattttttatcattgaaaagtgccatttgc
Ed_consensus -----AATAA-----GAAAAATAACG-----

5985
DS571152_90156-108875 acatcttataatattcaccacatttcttttctttcaattcatttaaatatctatcatttaaatcattat
Ed_consensus -----CAAGTTAATTGAAAAATGAGGATATGAAG-----

6053
DS571152_90156-108875 ttaccattcaaatatttctttacattggtcttctttcatttaattctattacattcattaattca
Ed_consensus -----AATA-----AATAAA

6121
DS571152_90156-108875 ttaaaaattaattttttacaaaatctttcttcattcttttaattattcaatttggattttcttttat
Ed_consensus TAGAAAAAGAA-----AAACATACAACAAGAAGT-----

6189
DS571152_90156-108875 tgccttctatcatttctcctatttctglatttgatatttttatttttaaatatattcttaataattcttt
Ed_consensus -----ATATA-----

6257
DS571152_90156-108875 accacattcactcttcttgcacattaatcctaacccaattcatttatttttaatatataatctacttt
Ed_consensus -----TAATCCTGA-----ATAAAATGAAAAATA

6325
DS571152_90156-108875 ttgggaatgttttactatataaattggagttgtattaaqaatttctatttgtttatctaccttctc
Ed_consensus GAGAGAGT-----TAAAGATGAAATTATAGAAAAAA

6393
DS571152_90156-108875 caattctcctagtttccatgggacaatactaaataaatalcttaatttggagatttatcactatttaa
Ed_consensus ----CATCTAG-ATCAAGAAGAAAAATAATAAAAGAAAGAAACAATCGAAAGA-----

6461
DS571152_90156-108875 tctttcttattgtaatgaggctgctatatttcatagrgtttaatgatgataaaaatagaagatatatca
Ed_consensus -----GAGAAATAAGTAAAAGATGTAAAA

6529
DS571152_90156-108875 ttttaattcttcttacaatatttgttaataatttattctctatttctataccaagatatttata
Ed_consensus TACAA-----GAACAATAGATATGAAAG-----AAATAAAATAACAAGCTGTGTATT

6597
DS571152_90156-108875 atgatttccaatagttactcttggtagttcagcgaattcaccatttatttgaactattaatattagtca
Ed_consensus AT---TTTGCAATA-----AAATGGTTAAATAAAAAAATTAACCTGGAAATTAAAAAAGAAA

6665
DS571152_90156-108875 ttatctccatcttttctatattaatttttaaccrattgcattaaatatttcttttagttaatttgg
Ed_consensus TTA-----GATATAAATCACTTATCGT-----TAG

6733
DS571152_90156-108875 gctttttccatttcacgcgagattattaattattatctttaaatcattcatatataatagtggtttaa
Ed_consensus GTTTTTATCAT---GTTGAGA-----AGTGTATTGT-TTCAGTTTATTCA-----ACACGCTTTA-

6801
DS571152_90156-108875 ctgggaattgtttttcttctccatttattttaaatatttgatttggtaatttqtttataaattgattag
Ed_consensus -----TTC-----TATTCAAATATTGTTTTTCAAATATGCTCAACT-----

6869
DS571152_90156-108875 ataatatgtcaatagataatacaaaataaaagrgggagataaaactgtcatttgtattattcctctttcta
Ed_consensus -----TAAATAACACCA-----TGGCTGTGATCTATCTTCTTTATCATTATTACTGTTT

6937
DS571152_90156-108875 catttaatcatacccaacactttattgattataaataaaatlaagatgltgtattatttaatatatataat
Ed_consensus AAATAATC-----CATTTTTCTTAATAACACACAA-----CGTATTCAGCATA---AAT

7005
DS571152_90156-108875 atactattaattactacaagtgggatattaaaaataaallaa-acaatgtttaatcaattgatgattaa
Ed_consensus CTATTACTAATAAATAAATTCAG---TTGTAGTAAAATAACACAAT-----

7073
DS571152_90156-108875 tgctatcatatgctttggatagtcataatargtttctactaacttcaatttagcctttaataataat
Ed_consensus -----TATCATAATA-----AATA--

7141
DS571152_90156-108875 tggttggattatagtggttatataaataatccttcttttgatgcatatgtatatttcttacatccaatttg
Ed_consensus -----AATGGTCTTTATCATAATAAACA---ATACCTC-----CCCAAATCG

7209
DS571152_90156-108875 attttaatgatagttgtttttcaattggatttagcatcaattgattttctattttcatttttaatttg
Ed_consensus -----CCCATCATAAA-----

7277
DS571152_90156-108875 atggtatatacttttaacaacaatttaagcacggttattggctgtaattctgtgggtctaatttatct
Ed_consensus -----TAAATAACCAACTAA-----

7345
DS571152_90156-108875 catttcttatataactaatattgttcttcccttgaataaagtggaagaagtatttcattaggattgtttaa
Ed_consensus -----CCTTGAA-----TGGGGCATTATCTCACAAGG-----TAA

7413
DS571152_90156-108875 ccatttcattaaataattttaataaataatttcattgggtatttcaaatatttaataccttctgta
Ed_consensus C---TTCATGAAAAGAC-----AATA---ACTGATGATTCAAAG-----CTTG--

7481
DS571152_90156-108875 tttttatcattttcaatttcaatttataatgaatttaatagcacagcttagttcattgqgaqt
Ed_consensus -----GACGATTTTTAGGGTTCGTGTAGTGTATCTGATGT

7549
DS571152_90156-108875 gattattgacatttctattattaattatattttcaatlaattttcatataaattaatatttagataat
Ed_consensus GACACCTTAGAACCTAT-----GCTGAAGGTATCA-----AGTTAAATAA-

7617
DS571152_90156-108875 ctataaatagattggtttcatagattcctttccagaaattaatagtgagatattatctggatattca
Ed_consensus CTAAAATCGAATTGATAAAAATAA-----AGAAGTCAATAG-----

7685
DS571152_90156-108875 tcttcttttagatttatttaaaagtgtgcaattttccaatatttcatcattttataattccatcttattct
Ed_consensus -----CCTTGTAATTA-----

7753
DS571152_90156-108875 ttttcaattattctttcttgcttctatttctattttttcatctttcagagggtatttataatagttta
Ed_consensus -----

7821
DS571152_90156-108875 tttgttcatttggttttattttaaatatgatataatcatatttcttaatatgtaataattctttttaat
Ed_consensus -----AGAACATAGCTGATGTTATAGGGCACTGTTTCTAAC

7889
DS571152_90156-108875 ttcataatattgtttattattaagtaaatctctcaatctacatatttttgactgtaataattctttctat
Ed_consensus ATCATAGAGGA-----TACTTTGTAGAGCTGTAGAGAACG-ACTCGGGACGGGATTAGTCTGCC--

7957
DS571152_90156-108875 acttctctttccacttctttcttgtttatttttattaataatgtaaatagtggaagctacagatttaa
Ed_consensus -----TGAATAGTAACAA-----AAGATACCTATTC--

8025
DS571152_90156-108875 tatagtgataaataatcaactaatgatttgattaatatttcatttttattaataatattaattatttga
Ed_consensus -----TGTTAACAAATAAATAA-----TTGCTTTTTATTAATAAAAATTAGTT-TTTG-

10813
DS571152_90156-108875 atttattcaaaacattaaacttacacaatttaagatattttcttctttgatttgaagataacaatgaat
Ed_consensus ACTTATTCAATTCCTA-TAATCCAAACAGTTTATTTATATTTTC-TCCTTTGATTTGGAAATAAAAATGTAT

10881
DS571152_90156-108875 gatattcatac-a-ataaacaaaaatatttcttaataaaattaatcgtctttagaattacaacatgttca
Ed_consensus TATGTTCAAAATGATATAAACAAAAACATTTCTTATTGAACTAATCATCTTAGAATTACAAGATATTCA

10949
DS571152_90156-108875 ttttcagtaaaaagacattttcacattaacacacagagaaaca-----
Ed_consensus TTTATAATAGAGAACATTTTTCACATTAACATTAAGAAGAACCCAGAATTATCAATGAACATTTATTTTC

11017
DS571152_90156-108875 --gaataact-----gtcttgaatcaaaaaatcacatttttcttactaataaaacattttcttt
Ed_consensus ATGAATAACTTAAATCATTTTCATCATCTTCAATCAAAAAACATATTTTATCTTAATGATAAATTCATTATTT

11085
DS571152_90156-108875 gatttcggttgaaaatcaaccaatttaaacgacaatgaaacattaagaagaaataattgctcaaacacatta
Ed_consensus GATTTATTTGAAATGAAATTTTAAACAATACTGA---ATTTGAAAAACAGTTATTACATCACTTTA

11153
DS571152_90156-108875 ataccatatttctcaacatcacttaggaaaaatagattttgtagaacag-aaaataaaaaqcataaqaact
Ed_consensus ATA--ACATTCCAAATATCAAAATAGAAAAATGGATTTTGTGACAGAAAAATAAGAAGAACAAAGATT

11221
DS571152_90156-108875 catttatttctaaaaataaagtttcaatcaaatcaatctacaaaaaatgtttgaattattagggtatg
Ed_consensus TATTTATTTT-AGAATAA---TCTAATCTAATTCAAATATACAAAGATTGTTTAAATATTAGGTATG

11289
DS571152_90156-108875 ttattgatacaaaaatattccttattatattaatagtalatagct-----gtgaaatgaataattata
Ed_consensus TCATTGATACAAAAAAGTACTATTATATTAATGATAGATAGTTTATTTCTGTGACAAGAATAATTATG

11357
DS571152_90156-108875 tgaaataagcataaaacaattcttcatttagtagacgatggtttaaagaaaagtgaaataattgtttcaa
Ed_consensus TGAATAGTTTAAAGATTCTTAGTTATTTTAAATAATTTCTTAAAAGAAAAAT-AATCAATGTTTCGA

11425
DS571152_90156-108875 aaaaactataatttctttcattgctgtaaaaatacacactaaaacaaaacttccaattataatggttga
Ed_consensus AGAAATCTAGCTTTTGCAT---ATGTAAAATGCCTATTAATAATAAACTACTAAATATAATGTTTGG

11493
DS571152_90156-108875 taaataataagatatttaattataggggttgaagtactaatcccattttcaaaagttactataaaaca
Ed_consensus TAAATAATAATACAAATTAA-TAAAT-GCATTGAAGTACTAATTTTGTTTTTAAAAGTTACTATAAAAAG

11561
DS571152_90156-108875 acggaataaaaatacaaaagaaaatataaaacaaaaacttagTTACTTCTTTGCTATCAAAGCAAAACAC
Ed_consensus AAGGAATAAAAATACAAAAGAAAATATAAAAACAGAAATCTAGTTACTTCTTTGCTATTAAGCAAAACAC

11629
DS571152_90156-108875 CTTGGTGAGATGGAAGAATCAAATACTCTTTGACAACCTCATTGTTTACAATATTGTTGGAGATAAAG
Ed_consensus CTTGGTGAGATAGAAGAATCAAATACTCTTTGACAACCTCATTCTTTACAATATTGTTGGAGATAAAG

11697
DS571152_90156-108875 AACTCTATCAACAACAAATGATGATCTAATACTGGTGCAATTAATGCACCAAGGATAATAAATGCTG
Ed_consensus AACTCTATCAACAACAAATGATGATCTAACAACCTGGTGCAATTAATGCACCAAGGATAATAAATGCTG

11765
DS571152_90156-108875 CTCGTTCAACTAAGATTCCATTTATTGTTAGTTGATTAAGATACTTTGTACATTATGTTTGGTTCT
Ed_consensus CTCGTTCAATTAGGATTCCATTTATTGTTAGTTGATTAAGATAATTTTGTACATTCAAATATTGTTCT

11833
DS571152_90156-108875 TTTGTGTTTAAATATTCTTGAATGAACGTCATCAATCTCTCATTATAAGTTTTGTCTCTATAAGTAAA
Ed_consensus TTTTATTTTAAATATCTTGAATGAAAGTCATTAATTTCTCATTATAAGTTTTTATCTCGATAACTAAA

11901
DS571152_90156-108875 TGAAGTTCGTTTCTGAATATTCCTTAAAGCACTTTCAAATATTATGAAAACCTACCATTCTTTGTTT
Ed_consensus TGAAGTTCCTTTTGAATATTCATTAAGCAGTTTCAAATATTCTTTAAAATTAATATTCTTTGTTT

11969
DS571152_90156-108875 TACCAGTTGGATGGTCTTCTTGTGACCCAAGAGTTTTATACATAATAAATCAAATACTGCTTTGAAC
Ed_consensus TACCAGTTGGATGATCTTCTTGTGATCCAAGAGTTTTATACATGATATATTCAAATACTGATTTAAAA

12037
DS571152_90156-108875 GATTGTTGTTTCATCATTTTAAATAAAGTCATCTTTACTCATTTTTCATTGGATCAGCAAATGTTGATAT
Ed_consensus GATTGTTGTTTCATCATTTTAAATAAAGTCATCTTTACTCATTTTTCATTGGATCAGCAAATGTTGATAT

12105
DS571152_90156-108875 TTCAGAAATGTGCTAAATGGAAATGAATGGATTGTGTTGACAAATTCACCTCATAGGAAAAACCATATTGTT
Ed_consensus TTCAGAAATGTGCTAAATGGAAATGAATAGATTTTTTAAACAAATTCACCTCATAGGAAAAACCATATTGTT

12173
DS571152_90156-108875 TTTTCATTGACATATGTTTGTTTCCTTTTCAAGTGGATTTGTTTTCCAATTGTCATCTCTTCTGTTAAT
Ed_consensus TTTTCATTAAACATAAAACTGTTTCCTTTTCAAGTGGATTTATTTTTCCAATTATCTATTTCTTCTGTTAAT

12241
DS571152_90156-108875 TTATGATAACAACAACCAACAGCACAAATCATTTTTAATTTGAGGGATATTAATTGAAAAGTCTTAATAA
Ed_consensus TTATGATAACAACAACCAACAGCACAAATCATTTTGATTTGAGGAATATGAATTGAGAGTCTTAATAA

12309
DS571152_90156-108875 TGTGGAGTGAAGATTACCACAAGCATGTAAACAAGTCATAAGAAAATTCCTTGATGAAGTTAATTTTT
Ed_consensus TGTGGAGTAAGATTACCACAAGCATGTAAACAAGTCATAAGAAAATTCCTTTGATGAAGTTAATTTTT

12377
DS571152_90156-108875 GAACAATTTCCATGAATGCTTCTGATGTAATATCACTTGATAAAATATTCAGTAGCGACTTTGACGCT
Ed_consensus GAACAATTTCCATAAATGCTTCTGATGTAATATCACTTGATAAAATATTCAGTAGCAACTTTAATTTCT

12445
DS571152_90156-108875 TTCTTTGGTTCAATCTTTTCTATTTTAGCAACCTTTTGATTTCTATCTTTCAATTGCTTTAACATATTC
Ed_consensus TTCTTTGGTTCAAAATTTTCTATTTTAGCAACCTTTTGATTTCTCTCTTTCAATTGCTTTGATATATTC

12513
DS571152_90156-108875 TTCTTTTCTTCAATACCAATACATTCAATTCCTTCTTTTGAAGCTCTTCCATCAAAATAACCTTTTC
Ed_consensus TTCTTTTCTTCAATACCTATACACTCAATTCCTTTTTTTTTTGAAGTTCTTCCATTAATAAACCTTTTC

12581
DS571152_90156-108875 CACTTCTATATCAATAACACATCCTTTCCAATATTGATTAATTAATGAACCTAATTCTTTACACTCA
Ed_consensus CACTTCCAATATCAATAACACATCCTTTCCAATATTGATTAATTAATGAACCTAATTCTTTACATTCA

12649
DS571152_90156-108875 TATCCCTTCTTTTCATTTCATCAATATCCATTGTTCTTTCTTTCCCTTCAATATTTCCTTTAGGATATAA
Ed_consensus TATCCCTTCTTTTCATTTCATTAATATCCATTGTTCTTTCTTTCCTTAATATTTCCTTTAGGATATAA

12717
DS571152_90156-108875 TAGTTTACATTTATCAATAAATTTGTTGTAACAATAAATGGTACTTCAATATAATATTTTTTTTGAATAA
Ed_consensus TAATTTACATTTATCAATAAATTTGTTGTAACAATAAATGGTATTTCAATATAATATTTTTTTTGAATAA

12785
DS571152_90156-108875 TAGCTTTAATTTTGGGGTGAATTAATGCAAGATATTTAATAAAAATAATATCACTTTGTTGAGGGTAT
Ed_consensus TCTCTTTAATCTCTGGTTGAATTAATACAAGAATAATTTAATAAAAATGATATCACTTTGTTGAGGATAT

12853
DS571152_90156-108875 TGTCTTCCCAATTTGTTTAAATCAAAATCAAAAATATTGATTCCTCCATTCTTCATTTATTCTTTCATAAAT
Ed_consensus TGTCTTGTAAATTTTAAATCAAAATCAAAAATATTGATTCCTCCATTCTTCATTTATTCTTTCATAAAT

12921
DS571152_90156-108875 TCCATTAATTAATACTCTTGTAGGTTTTTTCAGTATTTAAATATTGACTTTTCATTGTTATAATTATTTA
Ed_consensus TCCATTAATTAATAATCTTGTAGGTTTTCAGTATTTAAATATTGACCTTTCATTATTATAATTATTTA

12989
DS571152_90156-108875 CACTAAAACAAACTTCATTTTGATTTAAGAAAGTAATCATTTCATTTTCATATTGTTGATAAGTTTCA
Ed_consensus CACTAAAACAAATTTCAATTTTGATTTAATAAATTTATCATTTCATTTTCATAAATGTTGATAAGTTTCA

13057
DS571152_90156-108875 AATGAAGAAGGTAAATATTTCAATGTTGTTGATAGATAAATGTCATgatata-agttcaaatcagaata
Ed_consensus AATATAGAAGGTAAATATTTCTTTGTTGATAGATACTAATTTGATTTTAAAGAATTTAAGTCAGAATTA

13125
DS571152_90156-108875 tgagtttttaaaaaagacttttaaaaaagaagaataaataaaaaaaaaaaaa---caaa-aaac-aaa
Ed_consensus TAAGTTTTTAAAAAGATTTTTAAAAAGAAGAAAATAAATAGAAAAAAAAAAAAA CAAAAATAAATAAAA

13193
DS571152_90156-108875 caaataaagaagtagaataCAATAAACATTTTTACTTAAACAATCACCTTCTAATAATTATAATTCTATT
Ed_consensus CAAATAAGAAAA TAGAATACAAAAACTATTTTTACTTAAACAATCACCTTCTAATAA-ATAA-TCGATT

13261
DS571152_90156-108875 ACATGTTGGTTATGTTCTAATAATCATTTTAGTAATATCCACGTTCTTTGTTTTTGTCTATAATTTAAA
Ed_consensus ACATATGGTTATGTTCTAATAATCATTTTAGTAATATCCAAGTTTTTGTTTTAGTTCTATAATTTAAA

13329
DS571152_90156-108875 TTAATTCATAAATGGACATTCAGTCTTTTTTTGACCTTCTTTTCTTTAATTCCTTTTGTCTGACAAACAAAT
Ed_consensus TTAATTCATAAATGGACATTCAGTCTTTTTTTGATCTTCTTTTTCTTTAATTCCTTTTTGTTGACAAATAAAT

13397
DS571152_90156-108875 CTCTTCAGTAGGAGATCCTGAACAACACGATACTTTCCACTGCATTGACACACAAGAACTACTTTCT
Ed_consensus TTCTTCAGTAGGAGATCCAGAACAACACGATATTTTCCACTACATTGACATACAAGAACTACTTTCT

13465
DS571152_90156-108875 TCTTAGTTCCATCTTTTCATTTGTTTATTAATTAACCACTACCTTTACGTAAAACTACTCCACATCCTTCA
Ed_consensus TCTTAGTTCCATCTTTTCATTTGTTTATTAATTAACCACTACCTTTACGTAAAACTACTCCACATTCTTCA

13533
DS571152_90156-108875 GCCCATTTCAGTAAAGGAATTTTATTGCTTCCTTCATATGACTGAAATTCCTTCCTTCCTTCATATTTTGT
Ed_consensus GCCCATTTCAGTAAAGTAAATGATATAGCTTCCTTCATATGATATAAAATTCCTTCCTTCCTTCATATTTTGT

13601
DS571152_90156-108875 ATATCGTTTAAACGCTCTAAATCCCTTTGGAACAGTAAGTTCACCTTTGGTTATAAATTACCTGGAACACTTT
Ed_consensus ATAACGTTTAAACTTCTAAATCCCTTTGGAAATAGTAAGTTCAGTTTGATTATAAATTATTAGGAACGCTTT

13669
DS571152_90156-108875 GTGGTCGACTTCCATGCAATATTTCACTTCCTGGTTTGGAAAGGGCAATTGGAGAAAAATTGATCGGTGT
Ed_consensus GTGGTCGACTTCCATTTAACTTTCACTTCCTGATTTTGGAAAGAGTAATTGGAGAAAAATTGATCGATGT

13737
DS571152_90156-108875 ACTGGCTGAAGTACAACTCTCCTGTTGCTGAAAAATGGACGAGGATCTCCCAAAGTACTAATTGGTTT
Ed_consensus ATTGATTGAAGTACAATCTCTCCTGTTGCTGAAACCTGGACGAGGATATCCCCTAGTATTAATTTGTG

13805
DS571152_90156-108875 AGTTGAGAATGACCTAGTATTAATAGGAGAAAAATAATGTTCTTTCAATCATTGGAGATATAGAAGTAC
Ed_consensus TGTGAAAAATGAATTAGTATTAATGGAGAAATAAATGTTCTTTCAATCATTGGAGATATAGAAGTTC

13873
DS571152_90156-108875 GTTGTGTAGTATAAACTTTAGAGGCAATGATGGTTGAAGGGAAGTTTCGTTTAAATTAGGAGTATCT
Ed_consensus GTTTTGTAGTATAAAATTTAGATGGTAATAATGGTTGAAGAGGAATTTCAATTTAAATTAGGAGTATCT

13941
DS571152_90156-108875 TGTCTCTATTTTTTATTTCTGACATTTCTGATCTTGAAGGTAATGGATGTTGTTGTGAAGATGT
Ed_consensus TGTCTTTCTATTTTTTATTTCTGACATTTGCTTGATCTTGAAGGTAATGAATGTTGTTGTAAAGATGT

14009
DS571152_90156-108875 ATTTGTTATATGACTGATTTCACTGGAATAAATTATAAGTTTGATTAACAACCTGGAAGTTGTATAGAAC
Ed_consensus ATTTGTTATATGACCATTTTCACTAGAATAAATTATAACTTTGATTAACAATTGGAAGTTGTATAGAAC

14077
DS571152_90156-108875 CAAGTCCAGAGAAATACGACATGACATAGTTTCTTCATTAGGAAGTTGTATTTGTGTGTTTTGACTT
Ed_consensus CAAGTCCAGATGAAATACAACCTGATATATTTTTCTTCATTAGGAAGTTGTATTTGTGTATTTTGACTT

14145
DS571152_90156-108875 ATAGATAAATGGTGTGGACTATCCATTGTAATAGGCTCTAAAATGACATGTTTGAGGTTGAACAACATC
Ed_consensus ATAGATAAATGATGTTGATTTATCAATGTAATAGGCTCTAAAATGACATGTTTGAGGTTGAATAACATC

14213
DS571152_90156-108875 ATTAAGATTGGTTCCTAACATGATTCGTAATGATGTTCTGAACCTTATTGGAGAGAATTGAGTATATC
Ed_consensus ATTAAGATTGGTTCCTAACATGATTCATATGATGTTCTGAGTTTATTGGAGAGAATTGAGTATACC

14281
DS571152_90156-108875 TAAATTGGTTGTTTATTGAATGGGTTTTTCTTTGATTAAATAGAGAATAATGTTGGTTTGTGGTATCA
Ed_consensus TAAATTGGTTGTTGATTTAAATGGCTTTTTTCTTTGATTAAAAGAGAATAAGGTTGGTTTGTGGTATCA

14349
DS571152_90156-108875 ATAAGCGGAAACATcaattcaaaaagggtgtttcatttttgtttttctctctttttattttctaataa
Ed_consensus ATAGGCGGAAACATCAATTAATAAAAGGTTATTTTCAATTTTTGTTTTTCTCTCTTTTTATTTTTCTAATAA

14417
DS571152_90156-108875 gtt-----aaaaagaaatgaagtaatttttactatatttgattatattttttatgtc
Ed_consensus GTTAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAATAAAGTAATTTTACTATATTTGTATTATATTTTTTT-ATAA

14485
DS571152_90156-108875 tctaaaaaatagaaaaataataataaaaattccttggtt-atttattttt-ttgcagcttccttaqtttcaa
Ed_consensus TCTAAAAATAGAAAAATATTTATAAAAATCTTTGTTAATTTTATTTTATTTTATGCTTCCTTAGTTTCAA

14553
DS571152_90156-108875 atgaagaatgaacgtaaaaataacgatagtttaaaaataatatttttattataaatttactataaaacta
Ed_consensus ATGAGGAAAAAATAAAAAATAATATAAATTTAAAATAAATATTTATTATTATAAAATTTACTATAAATAA

14621
DS571152_90156-108875 tgaat-atattaatgatgttCACACTATTTCTTCTTCTGTAGGAAGTTTTATCTCACTGTCATCTTT
Ed_consensus TGAATAATATTAATGATATTTCACACTATACTTCTTCTGTAGGTTGGTTTTATATCATCTTCATCTTT

14689
DS571152_90156-108875 TGAAAGCGAAGTATCTTCAGTAATACAAATTTCTTTATCTAAATCTTCATCTATTTGATCAATATCTT
Ed_consensus AGAAAAATGAAATATTTTTCAGTAATATAAATCTTTTATCTAAATCTTCATCTATTTGATCAATATCTT

14757
DS571152_90156-108875 CACTATTAAAAAATCTTCTTCTATTTCTTGCTTTTAGAAATATTTATATCTTTGTTTCATTATCTAAC
Ed_consensus CACTATTAAAAAATCTTCTTCTATTTCTTGCTTTTAGAAATATTTATATCTTTGTTTCATTATCTAAC

14825
DS571152_90156-108875 CAACACCCATCTGTAAAAATAAATCCATCTCTCTTTTCATCAGTGATGATCATGATTGCAGTAAGTGC
Ed_consensus CAACATCCATTAGTAAAAATAAATCCATCTCTTTTTCTCATCAGTAATAATCATTATTGCAGTAAGTGA

14893
DS571152_90156-108875 AACAAATTGAATATTTTCTTTTCTCTCACAAACTAAAATAATATGATTTCATCATCTCTCTTTTCTCCTA
Ed_consensus AACAAATTGAATATTTTCTTTTCTCTTACAAAATTAATAATATGATTTCATCATCTCTCTTTTCTCCTA

14961
DS571152_90156-108875 ACTCAACATACCCAACACATTTTCCATTCTCTAAGACATTTAATTTTCCATATTTGTCTTGTCTAATT
Ed_consensus ATTCAATATATCCAATACATTTCTCTTTCTCTATAATATTTAATTTTCCATATTTGTCTTGTTTAATT

15029
DS571152_90156-108875 ACAATTGAATCTGATTTCATCTCCCCAAACAATTGAATTTTTCATATAATCCTAAATACCATTTACCATG
Ed_consensus ACAATTGAATCTAATTCATCTCCCCAAACAATTGAATTTTTCATATAATCCTAAATACCATTTACCATG

15097
DS571152_90156-108875 TACTAATTTTGTCTGTAGAGTCATACGTTCCCTATTAATCTAATGATTGGTTCACAATTTTCATTTCTTT
Ed_consensus TACTAATTTTGTCTGTATAAATCATAAGTTCCCTATTAACCTAATGATTGGTTCACAATTTTATTTCTTT

15165
DS571152_90156-108875 GAACACTAATAACACTTCTTCTGTTGTTTTTTTACAATGAAGTATAACCCCTAAAAAATGGAGTTCCTGGA
Ed_consensus GAATACTAATAACACTTCTTCTGTTGTTTTTTTACAATGAAGTATAACCCCTAAAAATATGGAGTTCAGAA

15233
DS571152_90156-108875 ATAATATCTTTATTTGGTATTTTCATTTAATAAACAGAGATAAAAAGTAATCTTTTACCAAAGAGTTGACT
Ed_consensus ATGATATCTTTATTTGGTATTTTCATTTAACAACATAGATAAAAAGTAATCTTTTACCAAAAAGTTGACT

15301
DS571152_90156-108875 AGTTAATGTTATTTTCTTTAGAAAAGACTCATTTTTTACTAAAATAATAAAGGTGTATTAATACAAAAATAAT
Ed_consensus ACTTAATACTATTTTCTTTAGAAAAATTTATTTTTATTAATAATAAATGGTGTATTAATACAAAAATAAT

15369
DS571152_90156-108875 TTTGGTTTTTAATACAAATAAGACCAACTTGACCAAAAAGGTTCTTCATCTTTTTTTTTGGGTATATTTCTT
Ed_consensus TTTGATTTTTTAATACAAATAAGTCCAACCTTGACCAAAAAGGTTCTTCATTTTTTTTTGGGTATATATTTT

15437
DS571152_90156-108875 TTTTCTTCTTGCAAAATAAGCATATAAAAATCCATTCTTTAATGGCCATCTTGATCATCCTTTTTCTTT
Ed_consensus TTTTCTTCTTGCAAAATATGCATATAACACTCCATTCTTTAATGGCCATCTTGATATATCCTTTTTCTTT

15505
DS571152_90156-108875 TTCTGTAATAGTAAGTTTGAATGGATAAGTTCGTTTCATATGTTAGTCCGATATTTTTTACCTATACATG
Ed_consensus TTCTGTAATAATAAGTCTGAATGGATAAGTTCGTTTCATATGTTAATCGAATATTTTTTACCTATACATG

15573
DS571152_90156-108875 GAACTCCAAGTATTGAACTAACGAAAATACAACATGTTTGAGAAAAGTACATCTGGTTCAATCATTTCAC
Ed_consensus GAACTCCAAGTATTGAACTAACGAAAATACAACAAGTTTGAGAAAATACATCTGGTTCAATCATTTCAC

15641
DS571152_90156-108875 AAGAGTGTGTTGATTTTGTATTATTATTGGAAACAAGAATATTTTATTTCTTAATAATCCAGGTAC
Ed_consensus AAGAGTGTGTTGATTTTGTATTATTATTGGAAACAAGAATATTTTATTTCTTAATAATCCAGGTAC

15709
DS571152_90156-108875 ACAAGACATATAATTGATATGTACTTTTCATCAGACCCAATTCATATAAGAGAAAAGTCCAATCACTAATCA
Ed_consensus ACAAGACATATAATTGATATGTACTTTTCATCAGATCCTATTCTATAAGAGAAAAGTCCAATCACTAATCA

15777
DS571152_90156-108875 Tctaatttatgatagaattactgataattttaagttttaattttactgcatcttctattccttttca
Ed_consensus TTTGATTTATTAAGAAAATATTGTTAATTTTAAGTTTTAATAATTACTGTCATTTTCTATTCTTTTTCA

15845
DS571152_90156-108875 ct-tatttaattagatat-----aaaaaagaagtttaattgacaaataaqaaca----caaaa
Ed_consensus TTAGATTTAATAATGAATAAAAAATAAAAAAAGAAGATAAATGATAAATAAGAAAAAATATAAAAA

15913
DS571152_90156-108875 ccttctattagtttaataaaaattcctTTAATTTAGAAAAGTACATAAATATTTTTATTTTAAAGTAAATT
Ed_consensus CTTTCAAATAATTAATAAAAAATCCTTTTAATTCAGAAAAGTACATAAATATTTTTATTTTAAAGTAAATT

15981
DS571152_90156-108875 TAATACCATCAGAAATACCAAAAAATTTGATAAGTAGAGGATTATATTAATTGTTTCATCAATAACTG
Ed_consensus TAATACCATAAGAATATCAAAAAATTTGATAAATAAGAAGATTATATTAATTGTTTCATTAATCACTG

16049
DS571152_90156-108875 CATATTGTTCAATTCCTTTAATTTCTTCTTTTGTTCCTTCTTCATGTTCAAGAAAATGTTTTATTTTC
Ed_consensus TATATTTTTCAATTCCTTTCAGTTTCTTCTTTTATTTCTTCTTTTCAAGAAAATGTTTTATTTTTT

16117
DS571152_90156-108875 TCTTTTTCTGCTTCTTGTCTTTTTTTTTTAAAAATGTTAAAACATCATCTTCTTGAGTAATTTCTTCTTC
Ed_consensus TCTTTTTCTGCTTCTTGTCTTTTTTTTTTAAAAATGTTAAAACATCATCTTCTTGATTTATTTCTTCTTC

16185
DS571152_90156-108875 TTTTTCTTTTGTGCTTTTACAAATTCATC---TTCTAATTTTGTAAAGTAATTCCTCCTTACTTTTAC
Ed_consensus TTTTTCTTTTGTGCTTTTACAAATTCATC---TTCTAATTTTGTAAAGTAATTCCTCCTTACTTTTAC

16253
DS571152_90156-108875 TATTTATTTCAATTTGAGTTATTACATTTCTTTCTTTTATAAATCTCTTGATTTTGAATTATTATA
Ed_consensus TATTTATTTCAATTTGAGTTATTATATCAATTTCTTTCTTTTATAAATATCTTTGTTGTTGATTTATTATA

16321
DS571152_90156-108875 TTTTCTTTTTCGGTGATTATTTCAATATCTTTTTCTACATTTTCTAATTTATGTTCAATCTTATCAGA
Ed_consensus TTTTCTTTCTCAATAATTTATTTATGATCTTTTTCTACATTTTCTAATTTATATTAGTTTTATCATA

16389
DS571152_90156-108875 GTCTGACAATTTGGATAGTACTTCTTTAGAAGTAGTACTCGTTTTTGATTGATATTCAACACTTTTCAG
Ed_consensus ATTGGATAATTTAGATGTAACCTCTGTAGAAGAAGTATTAATCTTTAATTGATGTTCAATATTTTTCAG

16457
DS571152_90156-108875 TTGAATTCCTTTTACCACCTTTCAATTTCTAGCATAAAATACFTTCTTTAATTCTTGGTGATTTGCACCA
Ed_consensus TTAAATTCCTTTT-----ATCATTTTCTAGTAAAAATATTTTCTTTAATTCTTGATGATTTGCACCA

16525
DS571152_90156-108875 CAAATAGGACAAGTGAATATTTGATTTTATAGCAAATTCFTTTTTTATATCTGAACAAGTTTCTAA
Ed_consensus CAAACAGGGCAAGTATAATATTTGATTTTTTATAGCAAATTCFTTTTTTACATCTGAATGACTTTCTAA

16593
DS571152_90156-108875 CCCACCAACAGCACCTGCTGCAGGGGTTAACATAAAATGCTCGAATTGCTTCAAGCATTGAAGAGATAC
Ed_consensus TCCACCAACAGCACCTGCTGCAGGGTGTAAACATAAAATGCTCTAATTGCTTCAAGCATTGAAGAGATAC

16661
DS571152_90156-108875 TCCAAACAGGAGTCCATGTTTCTGGATGAAATGAAGTAATAGAAAGACATATTTTGTGTTAATAGCA
Ed_consensus TCCAAACAGGAGTCCATGTTTCTGGATGAAATGAAGTAATAGAAAGACATATCTTTGTATTAAATAGCA

16729
DS571152_90156-108875 AATCTACCATTGGAGTAAAGAAATATACCTCAGGTGGATTTTTTTGGATAGTCATAAGGGAAAAACAAA
Ed_consensus AATCTACCATTGGAGTAAAGAAATATACCTCAGGAGGATTTTTTTGGATAATCATAAGGGAAAAATAAA

16797
DS571152_90156-108875 TTTACCATGATATATTCCTTCAGCAAAGTCTGTTTCACTTTGTCTTTGAAACTAAAATGACATTCAT
Ed_consensus TTTACCATGATATATTCCTTCAGCAAATCTGTTTCACTTTGGTCTTTGAAACTAAAATGACATTCAT

16865
DS571152_90156-108875 GCACAGATGATTC AATCAAATAAATAGTCATGCTGGTGGTGGTGATTTTAAAGAAAGCAGCATATTCT
Ed_consensus ATACTGAAGATTC AATCAAATAAATAGTCATATCTGGTGGTGGTGATTTTAAAAAAGCAGCATATTCT

16933
DS571152_90156-108875 CTTTGAAGTCGTTTAACTAATCAAATTAAGTTTGGTTTGCATTgttattatthtttatg---ttttt
Ed_consensus CGTTGAAGTCGTTTAACTAACC TAAATTAATGGTTTTTTTGCATTGTTTTTGTTTTTATTTTCTTTTT

17001
DS571152_90156-108875 ttttcaatthtttagtttaacattttttttataaaattcc tttttttttttg ttttaaaaaataaaa
Ed_consensus TTTTTCAGTTTATTAGTTTAACAATTTT-----TTTTTTTTTTTT-----AAAAATAAAA

17069
DS571152_90156-108875 ttgtaagaactaattaaaattggttattttttattacaaaagaATGTGGGTTATTCTTGTTTTA
Ed_consensus TTGTTAAAGAACTAATTAATTTTGTGTTA TTTTTTTTATTACAAAAGAATGTGGGCTATTCTTGTTTTA

17137
DS571152_90156-108875 TTAGTGGCAATTCCTCTAATTAATTTTATTGTTAATGTTTCAATTTATTGATCCATTGAAAACAAA
Ed_consensus TTAGTGGCAATTCCTTTCTAATTAATAATTTTATTAATTAATGTTTCAATTTATTGATCCATTAAAAACTAA

17205
DS571152_90156-108875 ATGGTATGTAACATTCCTTTGTTTTTCTTGGTTGGGGAATGTCATTTGCTATTCCATTTTTATTACCAA
Ed_consensus ATGGTATGTAACATTCCTTTGTTTTTCTTGGTTGGGGAATGTCGTTTGTCTATTCCATTTTTATTACCAA

17273
DS571152_90156-108875 TTGATATTTCAATCAGtttgatttatttcatttaaattattattaattaatattcattcatctaattgta
Ed_consensus TTGACATTTCAATCAGTTTGTTTTATTTTATTTATATTATCACATTTAATATTAAATTTATCTAATTTA

17341
DS571152_90156-108875 gTCTTTATTTGATAAATGCTGGAAACAACAAAATAAAGTTTGTGATGAGCCATTTACATATGTTGATA
Ed_consensus GTCTTTATTTGATAAATGTGTAGAACAACAAAATAAAGTTTGTGAAGAACCATTTACATATATTGATA

17409
DS571152_90156-108875 AAAAAACTTTAGTTGTATTATGGAAATTAATTAATTTGGGGAACAACCATATTATGTTGGACAGCCATT
Ed_consensus AAAAAACATTAGTTATATTATGGAAATTTAATTAATTTGGGGAACAACATATTATGTTGGACAGCCATT

17477
DS571152_90156-108875 CCATTTTTACAATCATATTGTTTCAGCAGGAGATTTTTCATGATTAGAACGAATAAAAAATCATTACG
Ed_consensus CCATTTTTACAATCATATTGTTTCAGCAGGAGATTTTTCATATATTAGAACGAATAAAAAATCATTACG

17545
DS571152_90156-108875 TGAAAAATAAATATTTTATTTGGTTGTAGGATTTGTTTGTGGAGTATTTTTGATATTATTCTTAATTT
Ed_consensus TGAAAAATAAATATTTTATTTAGTTGTAGGATTTGTTTGTGGTATATTTTTGATATTATTCTTAATTT

17613
DS571152_90156-108875 GGAATGAAAATGGAGATTGGTTAGGTATTGCTATTGCAGCAGCAAATGCATGGGGATTAATTATGGTT
Ed_consensus GGAATGAAAATGGGGATTGGTTAGGTATTGCTATTGCAGCAGCAAATGCATGGGGATTAATTATGGTT

17681
DS571152_90156-108875 ATTGGAATGATGGGGTATGGTATTGTAGCTGTTCCAGCTCGATTAAATTAAGAACATATCATCAAAACA
Ed_consensus ATTGGAATGATGGGGTATGGTATTGTAGCAGTTCCAGCTCGATTAAATTAAGAAATATATCATTAAAAACA

17749
DS571152_90156-108875 TTATTTAAAATTCATTATATTTCTGAAATTAATGATCTTACAGAAGAACATGAAGAAGAGGAAGGAATAT
Ed_consensus TTATTTAAAATTCATTATATTTCTGATAATTAATGATCTTACAGAAGAACATGAAGAAGAAGGAAGGAATAT

17817
DS571152_90156-108875 TATCAGAACTTATTACTCTTGTTAAGAAAAGCAGATGAAATTAATCCAATTACTGACCCCAATGAGGAAA
Ed_consensus TATCAGAACTTATTACTCTTGTTAAAAAAGCAGATGAAATTAATCCAATTACAGACCCCAATGAGGAAA

17885
DS571152_90156-108875 TGTGTTCTTATAAATTATAAAATGAAATTGATCCAAAACGTTATGAAGCAACAGAACCATCAAGAGACTT
Ed_consensus TGTGTTCTTATAAATTATAAAATGAAATTGATCCAAAACGTTATGAAGCAACAGAACCATCTAGAGACTT

17953
DS571152_90156-108875 TGTAAAGTCATATGAAAATCTTAGTGAATTACATGCAAATATTCAATTTCAACAATTAAAAGTTAAAC
Ed_consensus TGTAAATCATATGAAAATCTTAGTGAATTACATGCAAATATTCAATTTCAACAATTAAAAGTTAAAC

18021
DS571152_90156-108875 AAATATTTTACACATTACATAGTAATGTAGATCAAGTATTAATAATGAAAATTAATAATAAAAAA
Ed_consensus AAATATTTTATACTTTACATAGTAATGTAGATCAAGTATTAATAATGAAAATTAATAATAAAAAA

18089
DS571152_90156-108875 GCTCCTTTATTTCAAAGAAATTTATTTCAATGTAATCAAAAAAATAGTTTCAGTCAATTGCATTAATTTT
Ed_consensus GCTCCTTTATTTCAAAGAAATTTATTTTAATAATAATCAAAAAAATAGTTTCAATTAATTGCATTAATTTT

18157
DS571152_90156-108875 APTTATTATTATTCTTTAACAGTCTTTTCAAGTGAATTATTACTTCCATTCAATCTCCCTATATTAT
Ed_consensus APTTATTATTATTCTTTAACAGTATTTTCAAGTGAATTATTACTTCCATTTAATCTTCCCTATATTAT

18225
DS571152_90156-108875 CTCTCTTTATTACATTATTCAATCAATGAATCATCTGCATTTCTTTTACTTATTGTAATTACTGTT
Ed_consensus CTCTCTTTATTATAATTATTCAATCAATGAATCATCTGCATTTCTTTTACTTATTGTAATTACTGTT

18293
DS571152_90156-108875 TTTGTTATTATATTTGCTTGGTGTGTTTATCAAAACATTAATATCAATGAAATTAATTTGATTATTATCA
Ed_consensus TTTGTTATTATATTTGCTTGGTGTGTTTATCAAAACATTAATATCAATGAAATTAATTTGATTATTATCA

18361
DS571152_90156-108875 APTTATTAAATAATCGTTTATCTGATCCGGGTCAATGCTTTTTTCTGCAGCATATTTATGTCGTTTAT
Ed_consensus APTTATTAAATAATCGTTTATCTGATCCGGTCAATGCTTTTTTCTGCAGCATATTTATGTCGTTTAT

18429
DS571152_90156-108875 GTGCACCTTTAGCATTAAATATTTCTTCATATGATCAAATTTGATGGCGTTCAATTTCAATGGGACACAA
Ed_consensus GTGCTCCATTAGCATTAAATATTTCTTCATATGATTAATTTGATGGTATTCAATTTCAATGGAACACAA

18497
DS571152_90156-108875 ACTGCTTTTCAATCAGTAAATGCTTCAATGGAAGATATTCCATTCTTTGGTCAAAAATAGTTTCAATGA
Ed_consensus ACTGCTTTTCAATCAGTAAATGCTTCAATGGAAGATATTCCATTCTTTGGTCAAAAATAGTTTCAATGA

18565
DS571152_90156-108875 TTTCTTCCCTGTTTGTATTGTTATTGTTTCTGCATTCAGTTTGTGTAATCATTTTATTCCAATTCCTT
Ed_consensus TTTCTTCCCTGTTTGTATTGTAATTGTTTCTGCATTTAGTTTGTGTAACCATTTCATTTCCAATTCCTT

18633
DS571152_90156-108875 TGATTTTCAATTCAAATTTGAAATTTTTTGGAGTTAGAGACCATAATAAACAATACTACTGCACAAAAA
Ed_consensus TAATTTTCAATTCAAATTTGAAATTTCTTTGGTGTAGAGATCATAATAAACAATACTACTGCTCAAAAAA

18701
DS571152_90156-108875 ATAAAAAGAGGAAAATACATTTCTCAAATATTTCTACACTCGATATGCTGATTATATGTTTACTTTAAA
Ed_consensus ATAAAAAGAGGAAAATACATTTCTCAAATATTTTACACTCGATATGCTGATTATATGTTTACTTTAAA

18769
DS571152_90156-108875 TGCAAGTACTCATTATTAATAAACAAGATGATTAATAAATTTTATTATATCTTTCAATTTTGGTTT
Ed_consensus TGCAAGTACTCATTATTAATAAACAAGATGATTAATAAATTTTATTATATCTTTCAATTTTGGTTT

18837
DS571152_90156-108875 aatgatatttttattttatttttatttttatttttatttttatttttatttttatttttatttttattttt
Ed_consensus AATCAGATTTTTAT-----TCTTCTATT-----TCCTATCTTATTGTTTTGATTTCTAATTAATCAAGT

18905
DS571152_90156-108875 gt-----
Ed_consensus ATTTTTATAT