

Signal peptide <|> gp120

Q461e2	MRVMGIQRNYQHLWRWGTMILLGMLMTCSVTGQWVTVYYGVPWKDAETTLFCASDAKAYETEK		
Q461d1	-----		
Q461e2	HNVWATHACVPTDPNPQEIRLENVTEDFNMWKNSMVEQMNEEDIISLWDQSLKPCVKLTPLCVT		
Q461e1	-----		
Q461e2	LNCTDWTTNNATSTNQTTPATSEETGVKNCSFNITTELRDKKQKVYSLFYKLDVVQISENNSSN		
Q461d1	-----		
Q461e2	V1	V2	V3
Q461d1	-----	S	-----
Q461e2	SSNFTQYRLINCNTSAITQACPKVSFEPIPIHYCAPAGFAILKCNDSVFNGTGPCKNVSTVQC		
Q461d1	-----		
Q461e2	THGIKPVVSTQLLLNGSLAERKVMIRSENITNNAKNIIIVQFTKPVNITCIRPGNNTRKSVRIG		
Q461d1	-----		
Q461e2	V4	V5	V3
Q461d1	PGQAFYATGDIRNAHCVVNRTEWNNTLQKVVEQLREYFPNKTIIIFTNSSGGDIEITTHS		
Q461e2	FNCGGEFFYCNTSKLFNSRWENNGTANMLKNDTGSNETTLILRCRIKQIINMWQRVGQAMYAP		
Q461d1	-----		
Q461e2	PIQGVINCTSNTGLILTRDGGENDDETFRPGGGDMRDNWRSLEYKYKVVKLEPLGVAPTMA		
Q461d1	-----		
Q461e2	gp120 < > gp41	HR1	-----
Q461d1	KRRVVEREKRAVGMAAVFLGFLGTAGSTMGAASLTLLTVQARQLLSGIVQQOSNLLKAIEAQOH		
<i>TA mutation</i>			
Q461e2	HR1	-----	-----
Q461d1	LIRRITYWGIKQLQARVLAVERYLKQOLLGIWGCSGKLICHTSVPWNSSWSNKTOQEIWNNTT		
Q461d1	A	-----	-----
<i>IV mutation</i>			
Q461e2	HR2	MPER	MSD
Q461d1	WLQWDKEISNYTGTIYRLLEESQNQQEKNEQDLLALDKWANLWNWFDISKWLWYIKIFIMVVG		
Q461d1	V	I	I
Q461e2	MSD	-----	-----
Q461d1	GLIGLRIVFAIISVVNRVRQGYSPLSFQIPTPNPEGDRPGRIEEGGGEQDRTRSIRLVSGFL		
Q461e2	ALAADDLRSCLFSYHRLRDFILIVARTVELLGHSSLKGLRLGWEGLKYLGNLLSYWGQELKN		
Q461d1	-----		
Q461e2	SATNLDTTAAVAGWTDRDRAIEIVQRIVRAILHIPRRIQGFERALL		
Q461d1	-----		