

Supplementary Table 8: Chromosomal locations of CNV regions found in all control cases (males and females)				
Location	N	Size	Del/Dup	CNV Gene content
chr1:159566115-159596015	5	29901	Del	SDHC
chr1:159566115-159605684	6	39570	Del	C1orf192,SDHC
chr1:172041575-172098724	5	57150	Del	CENPL,DARS2
chr1:174450679-174491369	8	40691	Del	
chr1:177194050-177223176	9	29127	Del	
chr1:177694193-177740676	10	46484	Del	C1orf125
chr1:209418136-209444575	7	26440	Del	
chr1:209418136-209449752	8	31617	Del	
chr1:211088985-211131668	11	42684	Del	FLVCR1,NCRNA00292
chr1:211097781-211131668	10	33888	Del	FLVCR1,NCRNA00292
chr1:234879762-234905949	8	26188	Del	
chr1:234883633-234905949	7	22317	Del	
chr1:244921485-244938321	5	16837	Del	
chr1:24859464-25002670	11	143207	Del	CLIC4,SRRM1
chr1:27944423-27979646	7	35224	Del	FAM76A,STX12
chr1:28512480-28614909	11	102430	Del	MED18,PHACTR4
chr1:28512480-28774042	15	261563	Del	MED18,PHACTR4,RCC1,SNHG3,TRNAU1AP
chr1:28512480-28811725	16	299246	Del	MED18,PHACTR4,RAB42,RCC1,SNHG12,SNHG3,SNORA16A,SN
chr1:28522964-28811725	14	288762	Del	MED18,PHACTR4,RAB42,RCC1,SNHG12,SNHG3,SNORA16A,SN
chr1:28532283-28614909	8	82627	Del	MED18,PHACTR4
chr1:28608937-28614909	6	5973	Del	PHACTR4
chr1:32778890-32839178	6	60289	Del	ZBTB8A
chr1:32785388-32839178	5	53791	Del	ZBTB8A
chr1:36262773-36321744	6	58972	Del	EIF2C3
chr1:3980640-4695274	259	714635	Dup	AJAPI,LOC284661
chr1:61936303-61972291	6	35989	Del	TM2D1
chr1:65352916-65365995	7	13080	Del	
chr1:77575717-77583700	5	7984	Del	AK5
chr1:92983464-93047038	5	63575	Del	EVI5
chr1:9909594-9958596	7	49003	Del	LZIC,NMNAT1
chr1:9909594-9969047	8	59454	Del	LZIC,NMNAT1
chr2:122181035-122284084	11	103050	Del	MKI67IP,TSN
chr2:127027131-127047424	5	20294	Del	
chr2:159860033-159872962	7	12930	Del	
chr2:159860033-159890548	9	30516	Del	BAZ2B
chr2:159860033-159901397	13	41365	Del	BAZ2B
chr2:172523756-172565120	6	41365	Del	HAT1
chr2:174987149-175039184	10	52036	Del	GPR155,SCRN3
chr2:174994117-175024625	5	30509	Del	GPR155,SCRN3
chr2:201421699-201444411	5	22713	Del	CLK1,PPIL3
chr2:201632323-201677185	5	44863	Del	FAM126B,NDUFB3
chr2:202834698-202934594	12	99897	Del	NOP58,SNORD11,SNORD11B,SNORD70
chr2:202834698-203140049	27	305352	Del	BMPR2,NOP58,SNORD11,SNORD11B,SNORD70
chr2:203543422-203873416	18	329995	Del	ALS2CR8,CYP20A1,NBEAL1
chr2:224324400-224421599	19	97200	Del	APIS3
chr2:224366977-224421599	9	54623	Del	APIS3
chr2:228315600-228330372	7	14773	Del	
chr2:23939110-24044136	8	105027	Del	ATAD2B,UBXN2A
chr2:32132286-32326630	10	194345	Del	NLRC4,SLC30A6,SPAST
chr2:38862453-38879136	5	16684	Del	DHX57,GEMIN6
chr2:38895284-38959285	12	64002	Del	DHX57,MORN2
chr2:39226711-39259074	8	32364	Del	
chr2:42547841-42800389	26	252549	Del	KCNG3,MTA3
chr2:42713218-42790051	9	76834	Del	MTA3
chr2:47437468-47467374	8	29907	Del	EPCAM,MIR559
chr2:47452958-47467374	6	14417	Del	EPCAM,MIR559
chr2:47454610-47500472	8	45863	Del	EPCAM,MIR559,MSH2

chr2:65248218-65329904	12	81687	Del	ACTR2
chr2:65251099-65329904	10	78806	Del	ACTR2
chr2:65251099-65345306	15	94208	Del	ACTR2
chr3:102789197-102828655	6	39459	Del	PCNP
chr3:104579967-104598179	6	18213	Del	
chr3:110495798-110598826	23	103029	Del	DPPA2,DPPA4
chr3:114896721-115083660	15	186940	Del	ATP6V1A,GRAMD1C,KIAA2018,NAA50
chr3:134057434-134079689	5	22256	Del	NCRNA00119
chr3:137570728-137796809	16	226082	Del	STAG1
chr3:139868105-140084943	17	216839	Del	PIK3CB
chr3:139934042-140084943	11	150902	Del	PIK3CB
chr3:143702232-143775208	9	72977	Del	ATR
chr3:149434837-149443355	5	8519	Del	
chr3:171401005-171415703	5	14699	Del	
chr3:171401005-171525496	18	124492	Del	PRKCI
chr3:171525496-171577602	8	52107	Del	SKIL
chr3:182998542-183044024	9	45483	Del	
chr3:182998542-183075368	15	76827	Del	
chr3:183007211-183056639	8	49429	Del	
chr3:183010723-183075368	11	64646	Del	
chr3:187089013-187100960	6	11948	Del	
chr3:27465198-27545290	8	80093	Del	SLC4A7
chr3:41802030-41834977	5	32948	Del	ULK4
chr3:41935010-41982343	5	47334	Del	ULK4
chr3:57432480-57457928	8	25449	Del	DNAH12
chr3:57432480-57739237	39	306758	Del	ARF4,DNAH12,FAM116A,PDE12,SLMAP
chr4:111301759-111392827	19	91069	Dup	ELOVL6
chr4:113744172-113832321	8	88150	Del	C4orf21,LARP7,MIR302A,MIR302B,MIR302C,MIR302D,MIR367
chr4:113798058-113883554	8	85497	Del	LARP7
chr4:129180019-129243723	5	63705	Del	LARPIB
chr4:129901826-129923483	7	21658	Del	
chr4:140371186-140407790	9	36605	Del	C4orf49
chr4:150604556-150652973	5	48418	Del	
chr4:154533886-154591421	8	57536	Del	MND1
chr4:154569464-154591421	5	21958	Del	
chr4:163678637-163785175	17	106539	Del	
chr4:183476755-183512752	15	35998	Del	ODZ3
chr4:24872576-24903317	5	30742	Del	PI4K2B
chr4:39068335-39114544	13	46210	Del	KLB
chr4:39198618-39234259	12	35642	Del	C4orf34,UGDH
chr4:39214189-39266759	9	52571	Del	C4orf34
chr4:39217807-39276405	7	58599	Del	C4orf34
chr4:39217807-39414067	28	196261	Del	C4orf34,UBE2K
chr4:39331852-39375133	8	43282	Del	
chr4:39331852-39494511	25	162660	Del	UBE2K
chr4:39362912-39387042	8	24131	Del	UBE2K
chr4:39362912-39494511	22	131600	Del	UBE2K
chr4:39482900-39494511	6	11612	Del	
chr4:39482900-39520488	10	37589	Del	PDS5A
chr4:39712008-39810009	14	98002	Del	LOC344967,N4BP2
chr4:42211968-42256079	11	44112	Dup	ATP8A1,MIR548M
chr4:54705880-54751401	10	45522	Del	
chr4:62634834-62742267	11	107434	Del	
chr4:71930576-71995799	8	65224	Del	MOBK1A
chr4:71967109-72211493	22	244385	Del	DCK,MOBK1A
chr4:72167168-72208285	8	41118	Del	
chr4:72176427-72218576	10	42150	Del	
chr5:100451980-100522078	5	70099	Del	
chr5:125911240-126000523	23	89284	Del	ALDH7A1,C5orf48,PHAX

chr5:125929340-126057234	20	127895	Del	ALDH7A1,C5orf48,PHAX
chr5:130609094-130688294	9	79201	Del	CDC42SE2
chr5:130644691-130688294	5	43604	Del	CDC42SE2
chr5:130644691-130701975	6	57285	Del	CDC42SE2
chr5:134001788-134218124	14	216337	Del	C5orf24,CAMLG,DDX46,SEC24A
chr5:137846077-137885966	5	39890	Del	ETF1
chr5:145542758-145667488	19	124731	Del	RBM27
chr5:145563816-145667488	16	103673	Del	RBM27
chr5:145568676-145667488	15	98813	Del	RBM27
chr5:156351368-156407976	9	56609	Del	HAVCR1
chr5:31902694-31921478	10	18785	Del	PDZD2
chr5:37321333-37427371	11	106039	Del	NUP155,WDR70
chr5:37321333-37473605	17	152273	Del	NUP155,WDR70
chr5:37321333-37514955	18	193623	Del	NUP155,WDR70
chr5:37354052-37473605	13	119554	Del	NUP155,WDR70
chr5:55118231-55144489	6	26259	Del	DDX4
chr5:65207263-65256098	11	48836	Del	
chr5:68443472-68470725	8	27254	Del	SLC30A5
chr5:72283624-72331333	6	47710	Del	FCHO2
chr5:76085588-76129130	10	43543	Del	
chr5:76097012-76129130	7	32119	Del	
chr5:79578880-79616574	10	37695	Del	SERINC5
chr5:79600414-79616574	7	16161	Del	
chr5:99895770-99934121	9	38352	Del	FAM174A
chr6:111384438-111450087	12	65650	Del	GTF3C6,RPF2
chr6:111399325-111443128	10	43804	Del	RPF2
chr6:134557712-134596031	6	38320	Del	SGK1
chr6:13827652-13888496	13	60845	Del	
chr6:139586039-139659446	13	73408	Del	TXLNB
chr6:15261077-15309758	8	48682	Del	
chr6:155865681-155884768	7	19088	Del	
chr6:17458478-17480021	6	21544	Del	
chr6:17470094-17519564	8	49471	Del	CAP2
chr6:18265947-18294526	7	28580	Del	KDM1B
chr6:20612830-20632361	7	19532	Del	
chr6:21720928-21801131	9	80204	Del	FLJ22536
chr6:42879360-42931507	5	52148	Del	KIAA0240
chr6:73979282-74013350	7	34069	Del	KHDC1,KHDC1L
chr6:74163467-74398310	30	234844	Del	C6orf150,DDX43,EEF1A1,MTO1,SLC17A5
chr6:74212067-74404863	26	192797	Del	C6orf150,EEF1A1,MTO1,SLC17A5
chr6:74212067-74410896	28	198830	Del	C6orf150,EEF1A1,MTO1,SLC17A5
chr6:74266184-74309987	8	43804	Del	EEF1A1,MTO1
chr6:74303113-74410896	16	107784	Del	SLC17A5
chr6:74309987-74347012	7	37026	Del	
chr6:76462420-76519431	7	57012	Del	MYO6,SENP6
chr6:86262042-86311241	7	49200	Del	NT5E,SNX14
chr6:86262042-86336456	10	74415	Del	NT5E,SNX14
chr6:88375602-88424354	10	48753	Del	ORC3
chr6:89826343-89925006	13	98664	Del	PM20D2,PNRC1,SRSF12
chr7:129374460-129424930	9	50471	Del	UBE2H
chr7:129394423-129416799	5	22377	Del	
chr7:129481974-129525687	7	43714	Del	KLHDC10
chr7:137996551-138028345	9	31795	Del	SVOPL
chr7:138137036-138159945	8	22910	Del	TMEM213
chr7:142741558-142756304	6	14747	Del	CLCN1
chr7:151809888-151873168	9	63281	Del	
chr7:151809888-151886472	10	76585	Del	
chr7:151916674-152026508	23	109835	Del	XRCC2
chr7:152011384-152026508	6	15125	Del	

chr7:23495452-23531150	5	35699	Del	RPS2P32,TRA2A
chr7:39923354-39997013	8	73660	Del	CDK13
chr7:68462034-68576554	16	114521	Del	
chr7:77106138-77226404	15	120267	Del	PTPN12,RSBN1L
chr7:97485127-97522404	9	37278	Del	
chr8:121011481-121063575	13	52095	Del	DEPDC6
chr8:30322253-30357424	9	35172	Del	
chr8:30574742-30655202	11	80461	Del	GSR,GTF2E2
chr8:70990827-71020425	11	29599	Del	
chr8:70990827-71053049	18	62223	Del	
chr8:70990827-71074850	20	84024	Del	
chr8:70999209-71033622	12	34414	Del	
chr8:95798679-95827942	5	29264	Del	DPY19L4
chr8:95798679-95829499	6	30821	Del	DPY19L4
chr8:98807085-98872905	10	65821	Del	LAPTM4B,MTDH
chr9:106747174-106766642	6	19469	Del	
chr9:113661675-113675515	7	13841	Del	
chr9:126992567-127162141	15	169575	Del	GAPVD1,HSPA5,RABEPK
chr9:131706896-131843027	17	136132	Del	FNBP1
chr9:133185787-133257282	17	71496	Del	
chr9:33407096-33419322	5	12227	Del	
chr9:33998406-34016538	8	18133	Del	UBAP2
chr9:33998406-34072144	13	73739	Del	UBAP2
chr9:4774933-4805648	11	30716	Del	RCL1
chr9:73884517-73923515	7	38999	Del	
chr10:104651474-	10	96226	Del	AS3MT,CNNM2
chr10:12068234-12116049	10	47816	Del	UPF2
chr10:12086552-12116049	8	29498	Del	UPF2
chr10:12332460-12363470	9	31011	Del	CDC123
chr10:12350743-12391095	11	40353	Del	
chr10:13325305-13339929	8	14625	Del	
chr10:15097380-15129986	12	32607	Del	OLAH
chr10:15097380-15136454	14	39075	Del	OLAH
chr10:16545723-16557790	7	12068	Del	PTER
chr10:21627502-21780646	22	153145	Del	
chr10:26863051-26897445	10	34395	Del	APBB1IP
chr10:65100822-65167843	17	67022	Del	
chr10:69797702-70017557	21	219856	Del	DNA2,RUFY2,SLC25A16,TET1
chr10:69859940-69933585	10	73646	Del	DNA2,SLC25A16
chr10:69859940-70280215	43	420276	Del	CCAR1,DNA2,SLC25A16,SNORD98,STOX1,TET1
chr10:76115212-76210993	18	95782	Del	ADK
chr10:76151317-76175577	6	24261	Del	
chr10:81784143-81837894	9	53752	Del	C10orf57,LOC219347
chr10:81801560-81881186	18	79627	Del	C10orf57,LOC219347
chr11:101350321-	7	38967	Del	KIAA1377
chr11:101466109-	5	29354	Del	YAP1
chr11:109730648-	7	37306	Del	
chr11:118189820-	11	50867	Del	
chr11:118210355-	8	30332	Del	
chr11:122460612-	16	45822	Del	ASAM
chr11:122481125-	15	44317	Del	ASAM
chr11:17257420-17277373	5	19954	Del	NUCB2
chr11:18528736-18584994	5	56259	Del	SPTY2D1,UEVLD
chr11:41413568-42223242	128	809675	Del	
chr11:42392810-42704558	66	311749	Del	
chr11:47859459-48063062	18	203604	Del	PTPRJ
chr11:77484811-77505604	9	20794	Del	ALG8
chr11:9273306-9320188	6	46883	Del	TMEM41B
chr11:97776889-97826974	12	50086	Del	

chr12:100328580-	20	101139	Del	SPIC
chr12:100409830-	12	44445	Del	
chr12:100801180-	6	13106	Del	DRAM1
chr12:117022062-	5	26409	Del	VSIG10
chr12:121805573-	8	72432	Del	CCDC62,DENR
chr12:127961067-	6	18015	Del	GLT1D1
chr12:32032686-32052364	11	19679	Del	C12orf35
chr12:32097827-32123489	9	25663	Del	
chr12:32871284-32886262	7	14979	Del	PKP2
chr12:47817725-47931507	7	113783	Del	TUBA1A
chr12:49079113-49127324	8	48212	Del	LARP4
chr12:49079113-49145087	11	65975	Del	LARP4
chr12:49100053-49145087	8	45035	Del	LARP4
chr12:55991898-56097681	7	105784	Del	
chr12:63368597-63377581	5	8985	Del	RASSF3
chr12:68270273-68294340	6	24068	Del	CCT2,LRRC10
chr12:864191-917792	9	53602	Dup	RAD52,WNK1
chr12:91853140-91872651	6	19512	Del	
chr12:94472225-94491588	9	19364	Del	
chr12:948155-971902	7	23748	Del	ERC1
chr12:97492358-97567338	16	74981	Del	APAF1,IKBIP,SLC25A3,SNORA53
chr13:20523473-20553335	6	29863	Del	LATS2
chr13:40107236-40228171	15	120936	Del	FOXO1,MIR320D1,MRPS31
chr13:82844883-82863121	6	18239	Del	
chr14:20820148-20840570	6	20423	Del	RPGRIP1
chr14:34039184-34274999	38	235816	Del	CFL2,EAPP,SNX6
chr14:34610515-34646534	6	36020	Del	FAM177A1,PPP2R3C
chr14:35148467-35222928	8	74462	Del	RALGAPA1
chr14:35945479-35971688	5	26210	Del	
chr14:47959934-48007525	11	47592	Del	
chr14:50438152-50478508	14	40357	Del	ABHD12B,PYGL
chr14:58050270-58097759	6	47490	Del	KIAA0586
chr14:63078562-63138559	7	59998	Del	PPP2R5E,WDR89
chr14:63078562-63226870	10	148309	Del	PPP2R5E,SGPP1,WDR89
chr14:63089400-63138559	6	49160	Del	WDR89
chr14:63089400-63243775	12	154376	Del	SGPP1,WDR89
chr14:73003728-73046687	9	42960	Del	C14orf169,HEATR4
chr14:73171175-73233378	7	62204	Del	DNAL1
chr14:73171175-73238184	8	67010	Del	DNAL1
chr15:32998973-33041888	7	42916	Del	AQR
chr15:39082307-39476524	40	394218	Del	CHP,EXD1,INO80,LOC729082,NDUFAF1,NUSAP1,OIP5
chr15:39171941-39317004	17	145064	Del	CHP,EXD1,INO80
chr15:39421879-39476524	7	54646	Del	NDUFAF1,NUSAP1
chr15:40997322-41112234	6	114913	Del	TTBK2,UBR1
chr15:42300382-42385934	6	85553	Del	CASC4
chr15:42300382-42462132	8	161751	Del	CASC4
chr15:48476200-48516566	6	40367	Del	USP8
chr15:48476200-48610580	16	134381	Del	USP50,USP8
chr15:53452605-53610894	21	158290	Del	CCPG1,DYX1C1
chr15:53475261-53547867	11	72607	Del	CCPG1,DYX1C1
chr15:53475261-53577602	15	102342	Del	CCPG1,DYX1C1
chr15:53480496-53547867	10	67372	Del	CCPG1,DYX1C1
chr15:60404485-60417907	5	13423	Del	
chr15:62352329-62721035	19	368707	Del	CSNK1G1,KIAA0101,TRIP4,ZNF609
chr15:62497880-62572511	6	74632	Del	TRIP4
chr15:63372790-63406850	6	34061	Del	IGDCC3
chr15:63543026-63656325	18	113300	Del	DPP8,PTPLAD1
chr15:63838399-63865123	5	26725	Del	DENND4A
chr15:73505722-73711498	11	205777	Del	PTPN9,SIN3A,SNUPN

chr15:73593966-73711498	7	117533	Del	PTPN9,SNUPN
chr15:88826834-88846423	5	19590	Del	IQGAP1
chr16:11924420-11968080	7	43661	Del	TNFRSF17
chr16:20924771-20953576	6	28806	Del	DNAH3
chr16:48606452-48712314	14	105863	Del	HEATR3,TMEM188
chr16:68017092-68051780	8	34689	Del	CYB5B
chr16:70318562-70559809	19	241248	Del	APIG1,ATXN1L,KIAA0174,PKD1L3,SNORD71,ZNF821
chr16:70374400-70425669	5	51270	Del	APIG1
chr16:70419634-70558637	12	139004	Del	ATXN1L,KIAA0174,PKD1L3,ZNF821
chr17:16038155-16227633	18	189479	Del	CENPV,MIR1288,NCOR1,PIGL,UBB
chr17:16088546-16259657	16	171112	Del	CENPV,MIR1288,PIGL,TRPV2,UBB
chr17:16088546-16266693	18	178148	Del	CENPV,MIR1288,PIGL,TRPV2,UBB
chr17:16136781-16162044	6	25264	Del	PIGL
chr17:16136781-16173942	7	37162	Del	PIGL
chr17:24793724-24859695	5	65972	Del	TAOK1
chr17:26138589-26250354	7	111766	Del	ATAD5,C17orf42,CRLF3
chr17:26160691-26191779	5	31089	Del	ATAD5,CRLF3
chr17:27219954-27269857	6	49904	Del	UTP6
chr17:34761298-34869863	6	108566	Del	FBXL20,MED1
chr17:54063018-54726214	36	663197	Del	C17orf71,GDPD1,MIR301A,MIR454,PPM1E,PRR11,RAD51C,SKA
chr17:55857642-56252870	24	395229	Del	APPBP2,BCAS3,C17orf64,PPM1D
chr17:55894285-56144864	15	250580	Del	APPBP2,BCAS3,PPM1D
chr17:62611701-62669917	8	58217	Del	HELZ
chr17:62642338-62740277	9	97940	Del	HELZ
chr17:63164976-63232361	7	67386	Del	NOL11,SNORA38B
chr17:63187880-63232361	5	44482	Del	
chr18:16954953-17049834	10	94882	Del	
chr18:17312540-17526315	11	213776	Del	ABHD3,ESCO1,GREB1L,MIR320C1,SNRPD1
chr18:20178701-20196570	10	17870	Del	OSBPL1A
chr18:54637618-54679876	5	42259	Del	
chr18:55649208-55658599	6	9392	Del	
chr18:55649208-55688923	11	39716	Del	
chr18:56202243-56210914	7	8672	Del	
chr18:59164885-59180491	7	15607	Del	KDSR
chr18:59167645-59180491	5	12847	Del	KDSR
chr18:6970523-7127068	76	156546	Del	LAMA1
chr19:16253163-16288607	8	35445	Del	
chr19:16253163-16300498	10	47336	Del	KLF2
chr19:37785092-37860843	12	75752	Del	ANKRD27,RGS9BP
chr19:41344025-41366905	8	22881	Del	ZNF565
chr19:41353729-41366905	7	13177	Del	ZNF565
chr19:50877990-50954126	13	76137	Del	FBXO46,QPCTL,SNRPD2
chr19:50880466-50954126	12	73661	Del	FBXO46,QPCTL,SNRPD2
chr19:62304065-62341712	11	37648	Del	USP29,ZIM3
chr19:8989937-9060226	10	70290	Del	
chr20:34970620-35070812	10	100193	Del	RBL1,SAMHD1
chr20:34970620-35151129	14	180510	Del	RBL1,SAMHD1
chr20:34984285-35070812	9	86528	Del	RBL1,SAMHD1
chr20:49892937-49899639	5	6703	Del	
chr20:50019338-50066879	15	47542	Del	
chr20:50052538-50119963	24	67426	Del	
chr21:26056693-26094576	5	37884	Del	GABPA
chr22:27369427-27486448	14	117022	Del	CHEK2,HSCB,TTC28