### S2 Table. Yeast Strains used in this study.

All strains are isogenic to W303

<table>
<thead>
<tr>
<th>Strain</th>
<th>Genotype</th>
<th>Integrated and [replicating] plasmids</th>
<th>Source</th>
</tr>
</thead>
<tbody>
<tr>
<td>SBY3</td>
<td>MAT(^a) ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 rad5-535</td>
<td></td>
<td></td>
</tr>
<tr>
<td>SBY3939</td>
<td>MAT(^a) ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5</td>
<td></td>
<td></td>
</tr>
<tr>
<td>SBY4471</td>
<td>MAT(^a) ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1::pGAL-H3:TRP1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5</td>
<td>pSB893</td>
<td></td>
</tr>
<tr>
<td>SBY6183</td>
<td>MAT(^a) ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5 htz1::HYG</td>
<td>[1]</td>
<td></td>
</tr>
<tr>
<td>SBY9540</td>
<td>MAT(^a) ura3-1 leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 rad5-535</td>
<td>pSB1729</td>
<td></td>
</tr>
<tr>
<td>SBY10419</td>
<td>MAT(^a) ura3-1::pCSE4-3Flag-CSE4::URA leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5 cse4::KAN</td>
<td>pSB1067</td>
<td></td>
</tr>
<tr>
<td>SBY10425</td>
<td>MAT(^a) ura3-1::pCSE4-3Flag-CSE4::URA leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5 cse4::KAN</td>
<td>pSB1067, pSB1729</td>
<td></td>
</tr>
<tr>
<td>SBY10483</td>
<td>MAT(^a) ura3-1::pCSE4-3Flag-CSE4::URA leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1</td>
<td>pSB1067, pSB1729</td>
<td></td>
</tr>
</tbody>
</table>
ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5 cse4::KAN
psh1::KAN

SBY10484  MATa ura3-1::pCSE4-3Flag-CSE4::URA leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5 cse4::KAN psh1::KAN

SBY12317  MATa ura3-1 leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 rad5-535 nhp10::HYG

SBY12332  MATa ura3-1 leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 rad5-535

SBY12333  MATa ura3-1 leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 rad5-535 swr1::HYG

SBY12338  MATa ura3-1 leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5 psh1::KAN

SBY12349  MATa ura3-1 leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5

SBY12350  MATa ura3-1 leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5 psh1::KAN
SBY12779  MATa ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1 pSB1072
can1-100 bar1-1 bud5 RAD5
htz1::HYG::pHTZ1-3HA-HTZ1::TRP

SBY12832  MATa ura3-1::pCSE4-3Flag-CSE4::URA leu2,3- pSB1067,
112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 pSB1072,
ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5 pSB1729
htz1::HYG::pHTZ1-3HA-HTZ1::TRP cse4::KAN

SBY12833  MATa ura3-1::pCSE4-3Flag-CSE4::URA leu2,3- pSB1067,
112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 pSB1072,
ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5 pSB1729
htz1::HYG::pHTZ1-3HA-HTZ1::TRP cse4::KAN
psh1::KAN

SBY12918  MATa ura3-1::pCSE4-3Flag-CSE4::URA leu2,3- pSB1067,
112 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 pSB1072
RAD5 htz1::HYG::pHTZ1-3HA-HTZ1::TRP
cse4::KAN

SBY12920  MATa ura3-1::pCSE4-3Flag-CSE4::URA leu2,3- pSB1067,
112 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 pSB1729
RAD5 htz1::HYG::pHTZ1-3HA-HTZ1::TRP
cse4::KAN swr1::HYG

SBY12922  MATa ura3-1::pCSE4-3Flag-CSE4::URA leu2,3- pSB1067,
112 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 pSB1072,
RAD5 htz1::HYG::pHTZ1-3HA-HTZ1::TRP pSB1729
cse4::KAN swr1::HYG psh1::KAN

SBY12924  MATa ura3-1::pCSE4-3Flag-CSE4::URA leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5
htz1::HYG::pHTZ1-3HA-HTZ1::TRP cse4::KAN
swr1::HYG psh1::KAN

SBY12928  MATa ura3-1::pCSE4-3Flag-CSE4::URA leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5
htz1::HYG::pHTZ1-3HA-HTZ1::TRP cse4::KAN

SBY12930  MATa ura3-1::pCSE4-3Flag-CSE4::URA leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5
htz1::HYG::pHTZ1-3HA-HTZ1::TRP cse4::KAN

SBY12956  MATa ura3-1::pCSE4-3Flag-CSE4::URA leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5
htz1::HYG::pHTZ1-3HA-HTZ1::TRP cse4::KAN

SBY12958  MATa ura3-1::pCSE4-3Flag-CSE4::URA leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5
htz1::HYG::pHTZ1-3HA-HTZ1::TRP
cse4::KAN nhp10::HYG

SBY12959  
MATa ura3-1::pCSE4-3Flag-CSE4::URA leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5  
htz1::HYG::pHTZ1-3HA-HTZ1::TRP cse4::KAN

nhp10::HYG psh1::KAN

SBY13702  
MATa ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 rad5-535  
htz1::HYG::pHTZ1-3HA-HTZ1::TRP

SBY13998  
MATa ura3-1::pCSE4-3Flag-CSE4::URA leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5  
htz1::HYG::pHTZ1-3HA-HTZ1::TRP
cse4::KAN psh1::KAN

SBY14482  
MATa ura3-1::pCSE4-3Flag-CSE4::URA leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5 cse4::KAN  
PSH1-13Myc::HIS htz1::HYG::pHTZ1-3HA-HTZ1::TRP

cse4::KAN psh1::KAN

SBY14515  
MATa ura3-1 leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 rad5-535 INO80-13Myc::HIS

psh1::KAN

SBY14526  
MATa ura3-1 leu2,3-112::pGAL-3Flag-CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 rad5-535 INO80-13Myc::HIS

psh1::KAN
CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100
bar1-1 bud4 rad5-535 INO80-13Myc::HIS

SBY14527 MATa ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1
can1-100 bar1-1 bud4 rad5-535 INO80-13Myc::HIS

SBY15903 MATa ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1 [pSB1073]
can1-100 bar1-1 rad5-535 2uM::pTET-
CSE4::URA

SBY15904 MATa ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1 [pSB1073]
can1-100 bar1-1 rad5-535 2uM::pTET-
CSE4::URA psh1::KAN

SBY15906 MATa ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1 [pSB1073]
can1-100 bar1-1 rad5-535 2uM::pTET-
CSE4::URA psh1::KAN htz1::KAN

SBY15924 MATa ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1 [pSB416]
can1-100 bar1-1 rad5-535 2uM::pTET-
Empty::URA

SBY16018 MATa ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1
can1-100 bar1-1 bud4 RAD5 psh1::KAN

SBY16066 MATa ura3-1 leu2,3-112::pGAL-3Flag- pSB1729
CSE4:LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100
bar1-1 bud4 RAD5

SBY16072 MATa ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1
can1-100 bar1-1 bud4 RAD5

SBY16074  MATa ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1
            can1-100 bar1-1 bud4 RAD5 htz1::HYG

SBY16076  MATa ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1::pGAL-
            H3::TRP1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5
            pSB893

SBY16080  MATa ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1
            can1-100 bar1-1 bud4 RAD5

SBY16082  MATa ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1
            can1-100 bar1-1 bud4 RAD5 htz1::HYG

SBY16084  MATa ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1::pGAL-
            H3::TRP1 ade2-1 can1-100 bar1-1 bud4 RAD5
            pSB893

SBY16099  MATa ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1
            can1-100 bar1-1 bud4 RAD5 psh1::KAN

SBY16101  MATa ura3-1 leu2,3-112 his3-11 trp1-1 ade2-1
            can1-100 bar1-1 bud4 RAD5 psh1::KAN

SBY16102  MATa ura3-1 leu2,3-112::pGAL-3Flag-
            CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100
            bar1-1 bud4 RAD5
            pSB1729

SBY16103  MATa ura3-1 leu2,3-112::pGAL-3Flag-
            CSE4::LEU2 his3-11 trp1-1 ade2-1 can1-100
            bar1-1 bud4 RAD5 psh1::HYG
            pSB1729

References
