

**Table S2.** Average non-synonymous/synonymous substitution rate ratio (dN/dS).

Gene	Number of species	dN/dS ( $\omega$ )
<i>B2M</i>	33	0.21
<i>BCAP31</i>	32	0.13
<i>BLMH</i>	39	0.12
<i>CALR</i>	34	0.061
<i>CANX</i>	37	0.076
<i>CD1D</i>	28	0.46
<i>CD74</i>	26	0.21
<i>CD207</i>	32	0.47
<i>CTSB</i>	35	0.14
<i>CTSD</i>	20	0.089
<i>CTSE</i>	31	0.20
<i>CTSF</i>	34	0.21
<i>CTSG</i>	28	0.44
<i>CTSL1</i>	11	0.36
<i>CTSL2</i>	11	0.34
<i>CTSS</i>	32	0.23
<i>CYBA</i>	30	0.082
<i>CYBB</i>	38	0.14
<i>ERAP1</i>	34	0.20
<i>ERAP2</i>	26	0.35
<i>IFI30</i>	28	0.25
<i>LGNM</i>	37	0.15
<i>LNPEP</i>	38	0.20
<i>MARCH1</i>	29	0.11
<i>MARCH8</i>	25	0.21
<i>MR1</i>	30	0.40
<i>NCF1</i>	24	0.096
<i>NCF2</i>	32	0.21
<i>NCF4</i>	32	0.14
<i>NPEPPS</i>	32	0.055
<i>NRD1</i>	32	0.13
<i>PDIA3</i>	38	0.11
<i>PSMB8</i>	34	0.16
<i>PSMB9</i>	29	0.12

<i>PSMB10</i>	36	0.13
<i>PSME1</i>	30	0.11
<i>PSME2</i>	31	0.14
<i>PSME3</i>	34	0.070
<i>PSMF1</i>	36	0.21
<i>TAP1</i>	35	0.34
<i>TAP2</i>	26	0.23
<i>TAPBP</i>	33	0.31
<i>TAPBPL</i>	32	0.36
<i>THOP1</i>	30	0.050
<i>TPP2</i>	38	0.049

---