

Table S5. Results of the tests for clustering of the phenotype genes. See the main text for a description of the three tests Mod, Ini, and Rwr.

		whole	hprd	physical
network size		[11,530 / 98,634]	[9,303 / 34,998]	[10,475 / 51,974]
[Nodes / Edges]				
all		[236 / 399]	[212 / 120]	[225 / 184]
p-values	Mod	$< 1 \times 10^{-16}$	$< 1 \times 10^{-16}$	$< 1 \times 10^{-16}$
	Ini	< 0.001	< 0.001	< 0.001
	Rwr	< 0.001	< 0.001	< 0.001
degeneration		[39 / 10]	[34 / 2]	[38 / 4]
p-values	Mod	3×10^{-7}	0.092	0.006
	Ini	0.003	0.066	0.008
	Rwr	0.002	0.199	0.085
abnormal foliation		[55 / 47]	[49 / 15]	[52 / 21]
p-values	Mod	$< 1 \times 10^{-16}$	1×10^{-13}	$< 1 \times 10^{-16}$
	Ini	< 0.001	< 0.001	< 0.001
	Rwr	< 0.001	< 0.001	< 0.001
abnormal vermis		[24 / 17]	[21 / 4]	[22 / 5]
p-values	Mod	$< 1 \times 10^{-16}$	3×10^{-5}	3×10^{-6}
	Ini	< 0.001	< 0.001	< 0.001
	Rwr	< 0.001	0.184	0.27
absent cerebellum		[10 / 13]	[9 / 0]	[9 / 1]
p-values	Mod	$< 1 \times 10^{-16}$	N/A	0.028
	Ini	< 0.001	1	0.03
	Rwr	< 0.001	1	0.081
small cerebellum		[68 / 54]	[60 / 20]	[64 / 27]
p-values	Mod	$< 1 \times 10^{-16}$	$< 1 \times 10^{-16}$	$< 1 \times 10^{-16}$
	Ini	< 0.001	< 0.001	< 0.001
	Rwr	< 0.001	< 0.001	< 0.001
ataxia		[165 / 176]	[149 / 49]	[157 / 84]
p-values	Mod	$< 1 \times 10^{-16}$	1×10^{-16}	$< 1 \times 10^{-16}$
	Ini	< 0.001	< 0.001	< 0.001
	Rwr	< 0.001	< 0.001	< 0.001